

Grundlagen der Immunologie (Zahnmedizin)

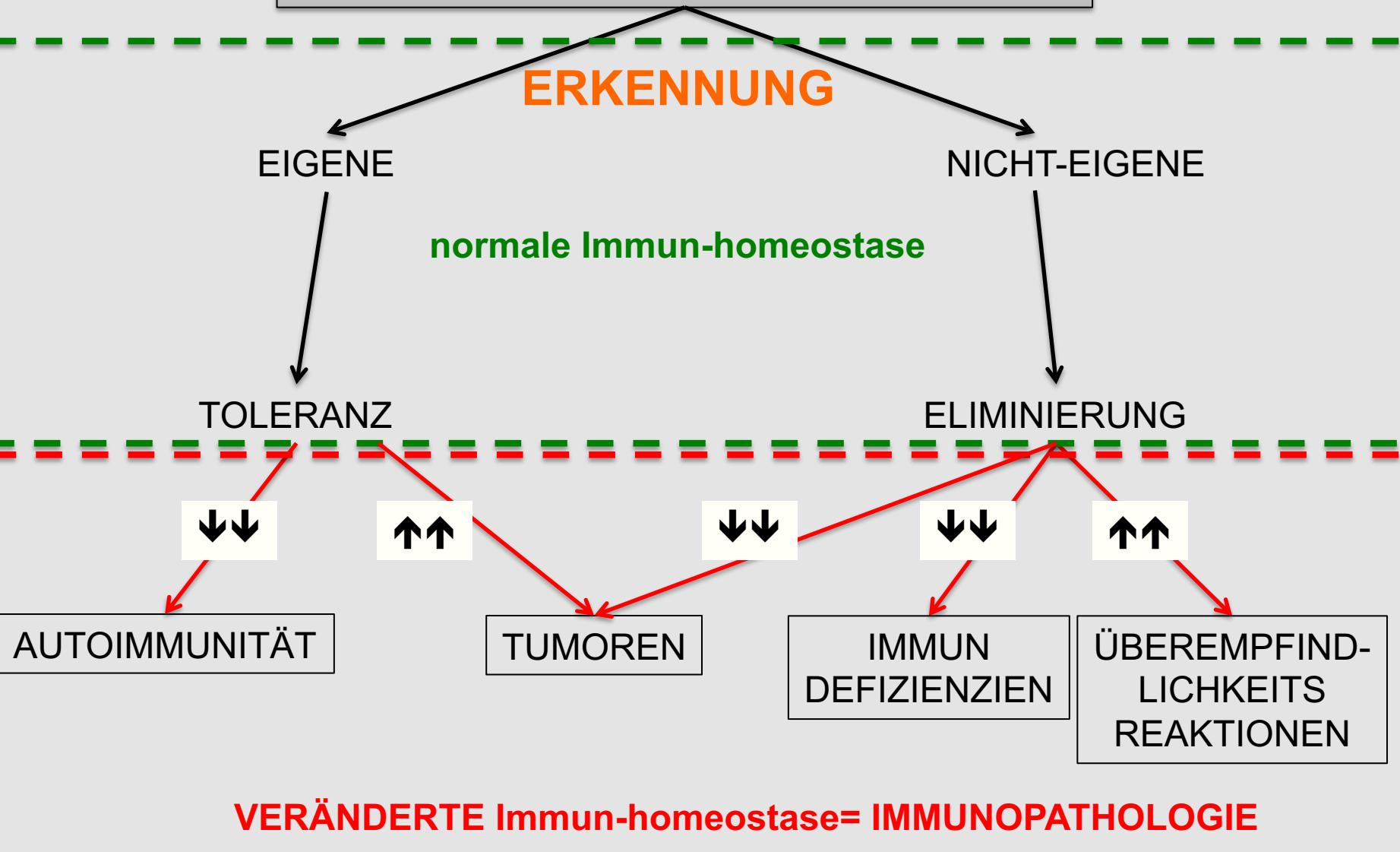
Vorlesung 3.-4.

Molekuläre Komponenten des Immunsystems.

1. *Antigenerkennungsmoleküle: Immunglobuline, T-Zell-Rezeptor*
2. *MHC und Antigenpräsentation*

Ferenc Boldizsar

Immunsystem



Aufbau des Immunsystems



Angeborene

- Nicht antigenspezifisch
- Keine immunologische Gedächtniss
- Schnell
- Lineare Verstärkerung

Erworbene (adaptiv)



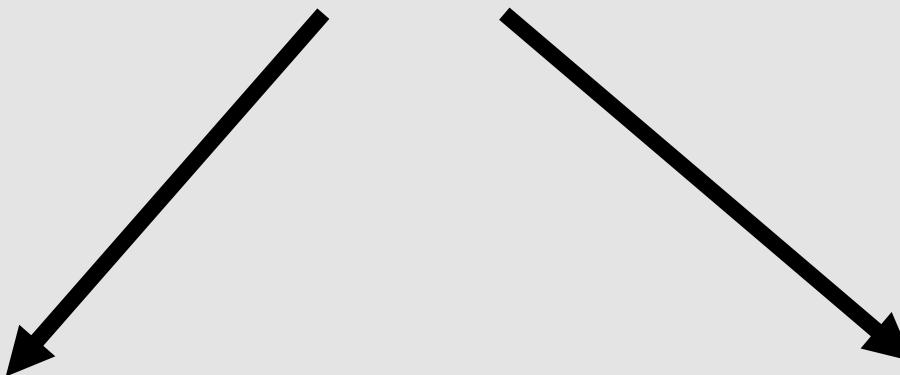
- Antigenspezifisch
- Immunologische Gedächtniss
- Aktiviert sich nach Latenzzeit
- Exponentielle Verstärkerung

Natürliche

Angeborene-ähnliche Immunität mit adaptive Eigenschaften.



Immunologische Erkennung (**Rezeptoren**)



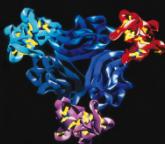
Angeborene Immunität

gemeinsame mikrobielle
molekuläre MUSTERn

(„pattern recognition receptors“)

Adaptive Immunität

Antigenspezifisch (EPITOP)



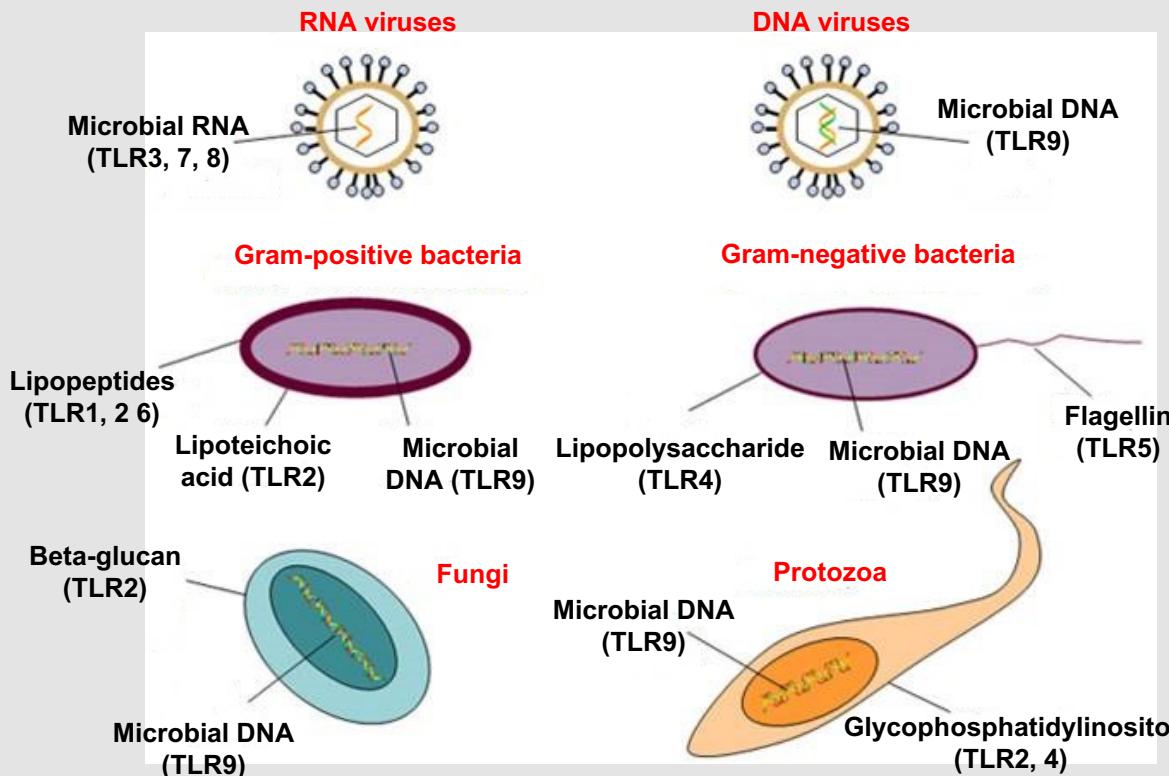
Erkennungsmoleküle

	Innate immunity	Adaptive immunity
Specificity	<p>For pathogen-associated molecular patterns (PAMPs)</p> <p>Different microbes</p> <p>Identical mannose receptors</p>	<p>For structural details of any molecules (antigens)</p> <p>Different microbes</p> <p>Distinct antibody molecules</p>
Receptors	<p>Encoded in germline (pattern recognition receptors)</p> <p>Toll-like receptor</p> <p>N-formyl methionyl receptor</p> <p>Mannose receptor</p>	<p>Encoded by lymphocyte genes produced by somatic recombination</p> <p>Ig</p> <p>TCR</p>
Distribution of receptors	<p>Non-clonal</p>	<p>Clonal</p>

Table 4-1

Mustererkennung

- **PAMP** (pathogen-associated molecular pattern): Moleküle die auf Pathogene oft befunden werden und die von den Zellen des Immunsystems erkannt werden können.



Beispiele von PAMPs:

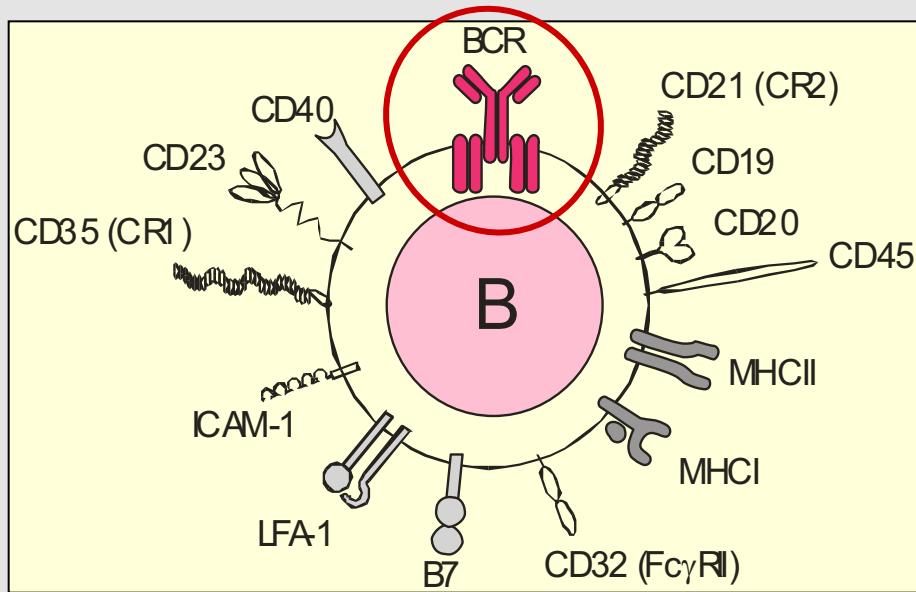
- **LPS (lipopolysaccharide)**
- Beta-glucan
- dsRNA (double stranded RNA)
- CpG-DNA (microbial DNA)
- Flagellin

Beispiele von PRRs:

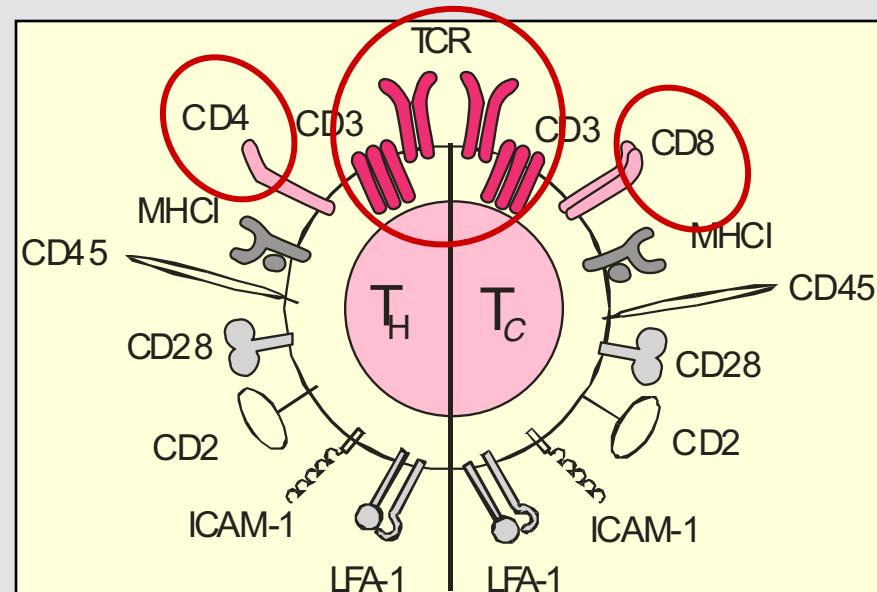
- **LPS-receptor (CD14)**
 - **Mannose-receptor**
 - **Glucan-receptor**
 - **Toll-like receptors (TLR)**
 - **Scavenger receptors**
- C-lectin-R

- **PRR** (Pattern-recognition receptor): Ihre Genen werden nicht rearrangiert; alle angeborenen Immunzellen exprimieren gleiche PRRs durch das ganze Leben.
- Einige Rezeptoren werden an **Zelloberfläche**, anderen **intracellulär** befunden.

Antigenrezeptoren von Lymphozyten



BcR= B-Zellrezeptor

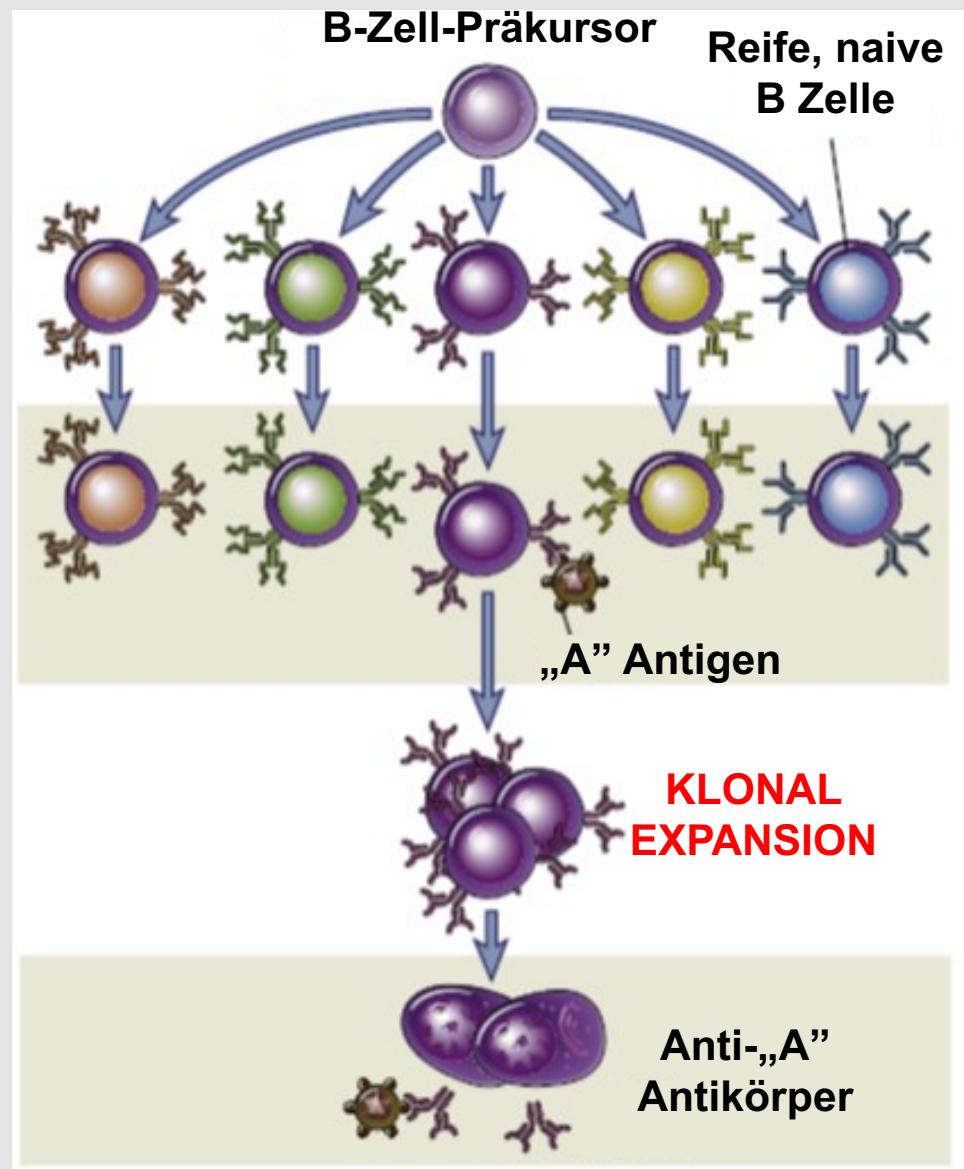


TcR= T-Zellrezeptor

BcR und TcR sind **Antigenrezeptoren**, die auf jede individuelle Lymphozyten unterschiedlich sind. Jede einzige Antigenrezeptor erkennt und bindet nur EIN spezifische Antigen (EPITOP)

Die Klonaleselektionhypothese

1. Jede neugebildete Lymphozyt exprimiert eine unikal Antigenbindungsrezeptor.
2. Nur solche Lymphozyten werden aktiviert die erkennen eine Antigen. Diese selektierte Zellen proliferieren und produzieren Klonen von sich selbst, wo jede Tochterzellen haben die gleiche Antigenerkennungsrezeptor.
3. Diese Klonen differenzieren zu Effektorzellen die nehmen an der Immunantwort teil (zB. Plasmazellen produzieren Antikörper)



Medtraining Frage 2

Erkennungsmoleküle in dem adaptive Immunsystem

Immunoglobuline

B-Zell-Rezeptoren (BcR)

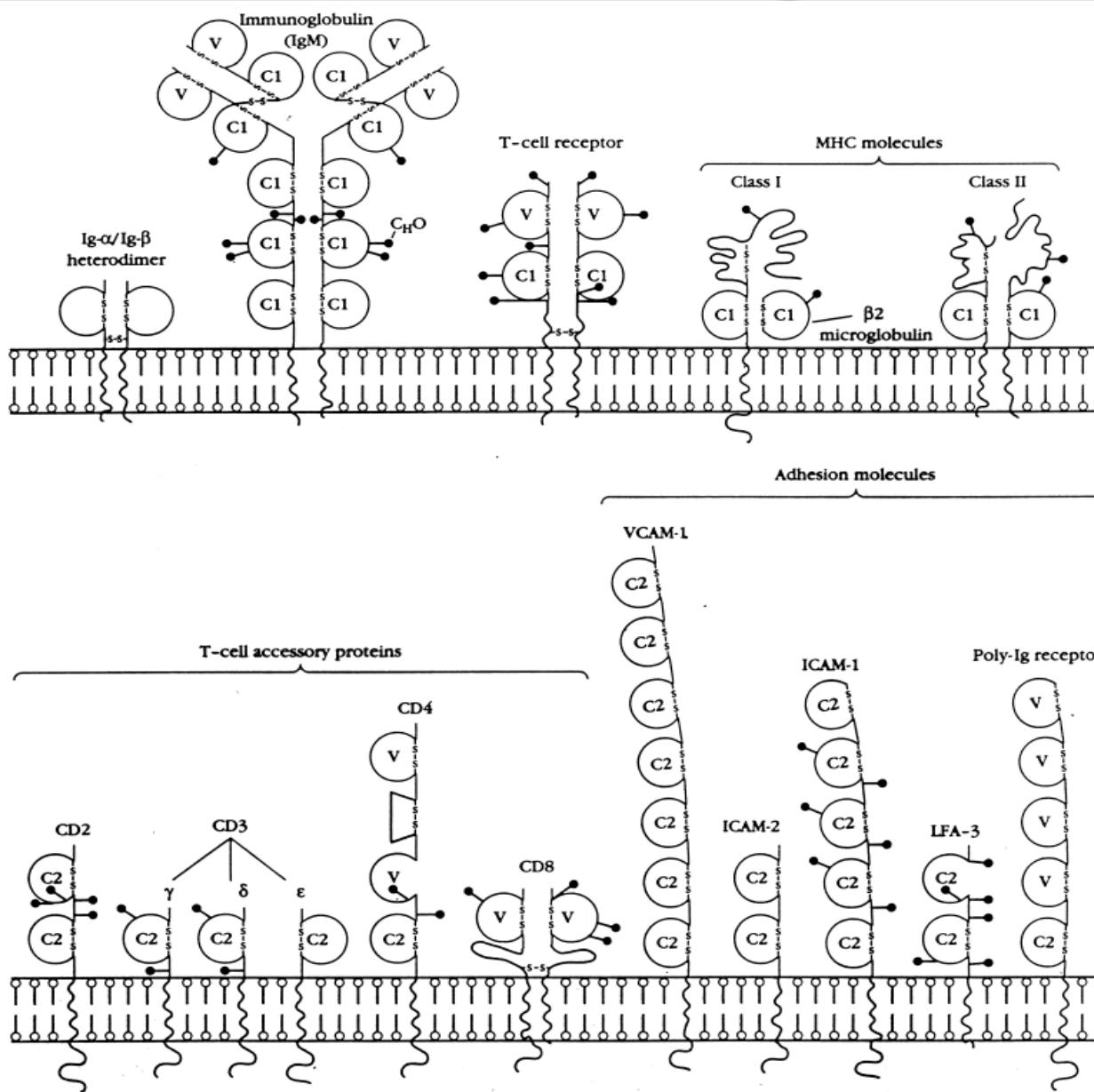
T-Zell-Rezeptoren (TcR)

MHC Klasse I und II

Spezialisierte Moleküle schaffen Antigenerkennung. Gemeinsame strukturelle Komponenten von diese Moleküle sind evolutionell-konservierte (konstante) Grundlagelemente (gebildet von **110 Aminosäuren domain Elemente**) und sie enthalten auch variable, antigenspezifische Teile (Bindungstelle) für Erkennung und Ligandbindung.

Immunerkennungsmolekülen

Antigen
spezifische
Erkennungs-
molekülen

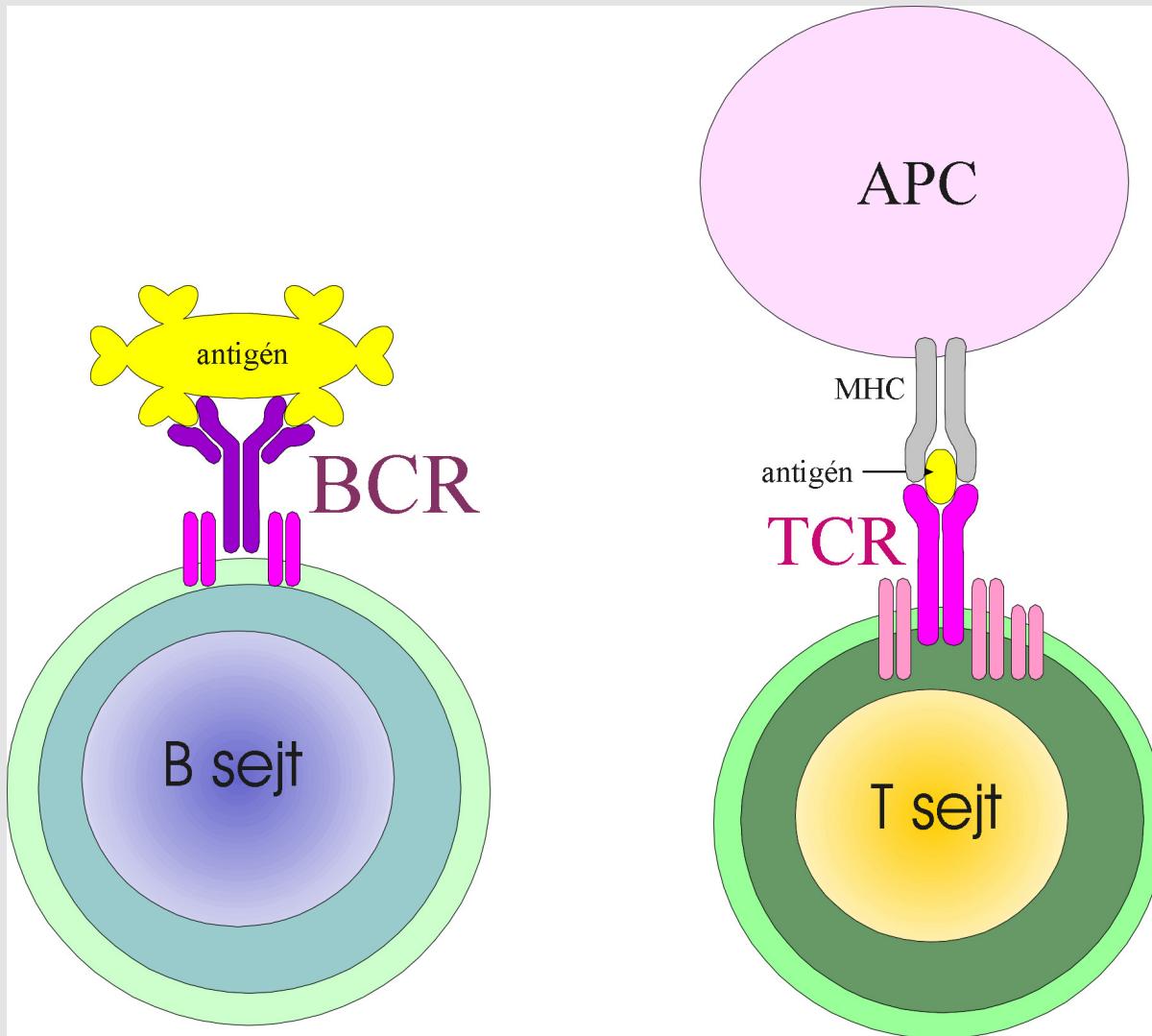


Zusätzliche-
molekülen

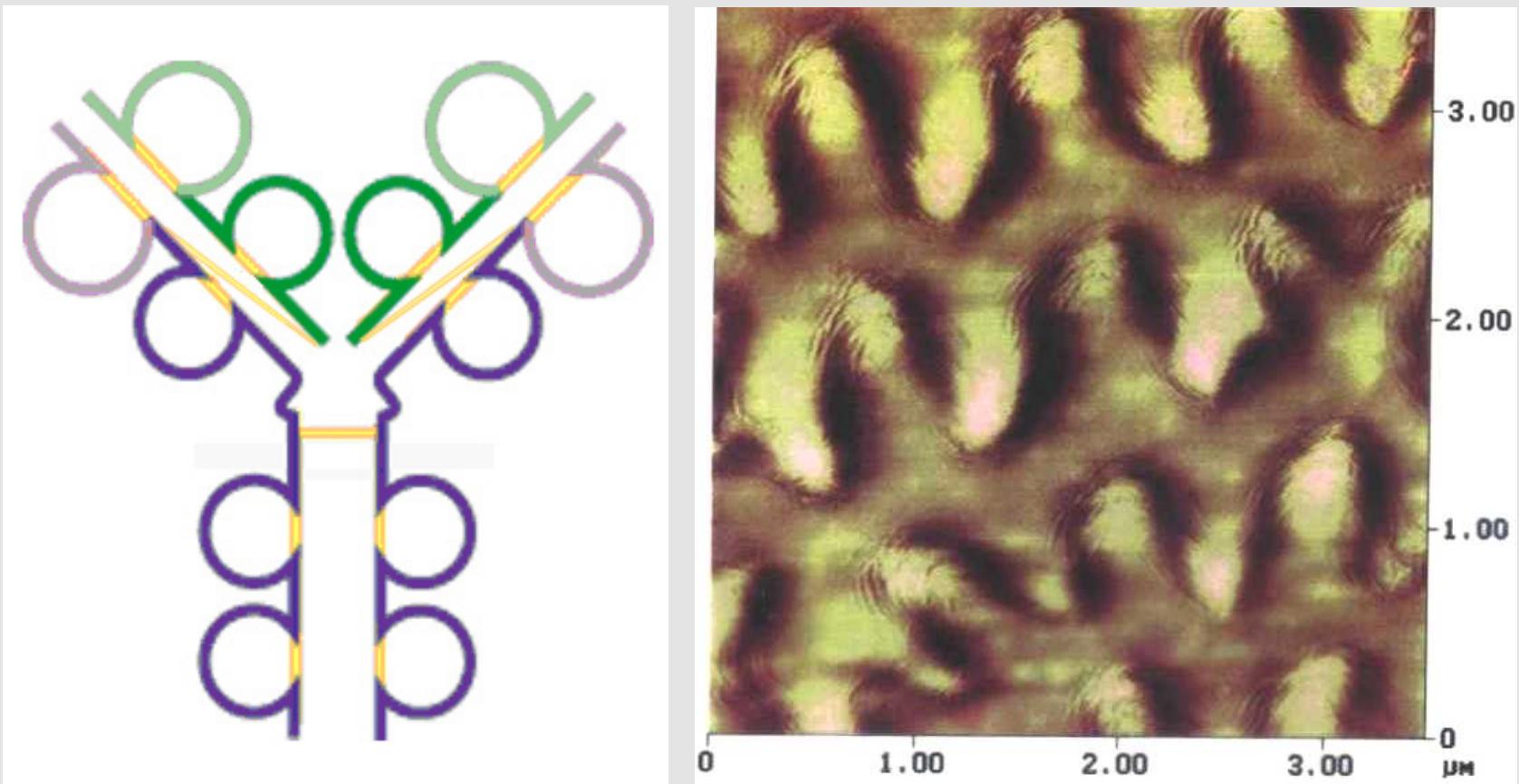
Antigenerkennung

	B Zellen	T Zellen
Rezeptor	BcR (Ig)	TcR
Antigen	native	denaturierte (präsentierte)
APC	nicht nötig	nötig

B- und T-Zelle Antigenerkennung

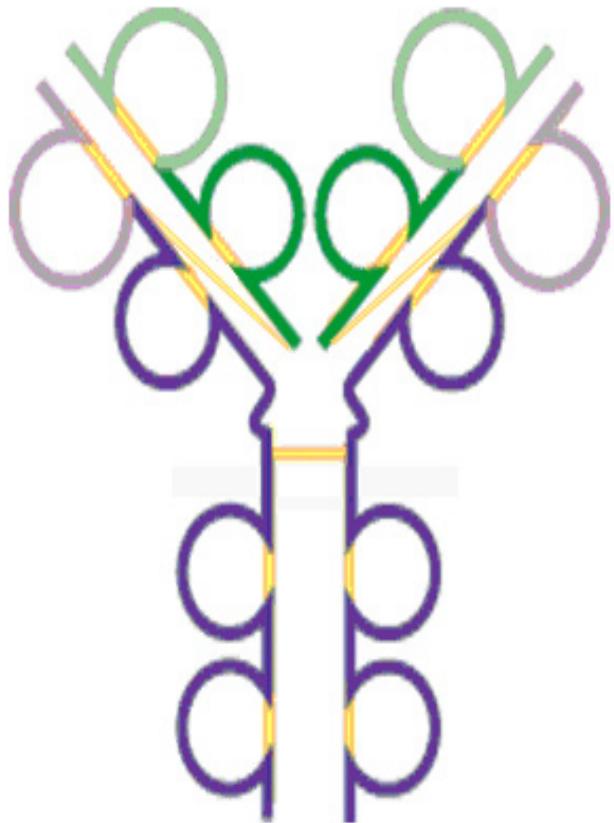


Domainstruktur



Konservierte Aminosäuresekvenzen gebildet von 110 Aminosäuren die mit einer Disulfidbrücke in eine “Ringform” geschlossen werden.

Immunoglobulin Moleküle

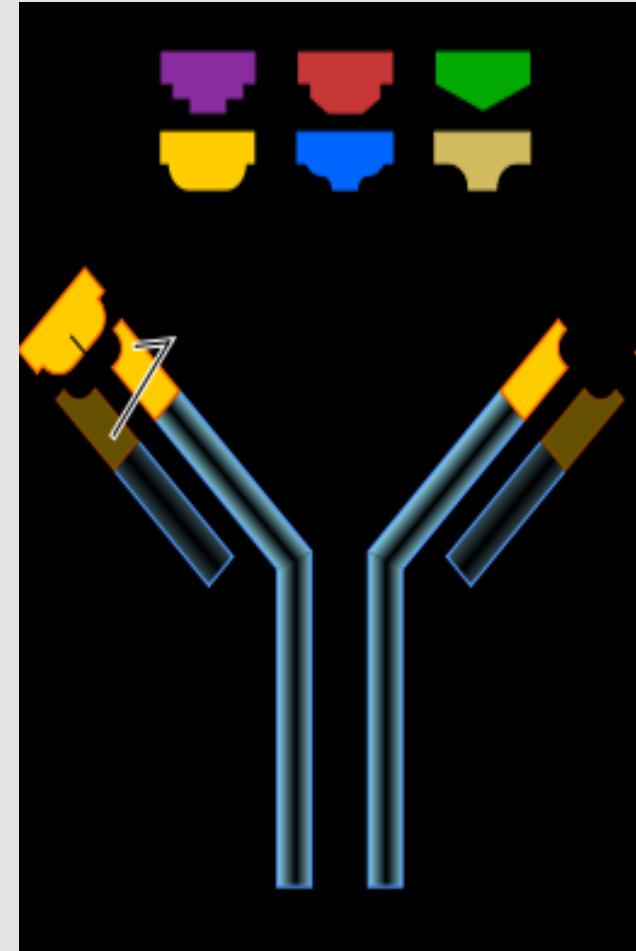


CDR
Variable
Region
Idiotyp

Fab Fragment

Constant
Region
Isotyp

Fc Fragment



Immunoglobuline

Monofunktionelle Karakter (spezifische Antigenerkennung und Bindung) **bevor** Antigenstimulation. **Fab** abhängige Funktion.

Polyfunktionelle Karakter **nach** Antigenstimulation (Signalübertragung, Komplementfixation, Opsonisierung, Immunkomplexformation, FcR Bindung, etc.). **Fc** abhängige Funktionen.

Immunglobulin isotypen

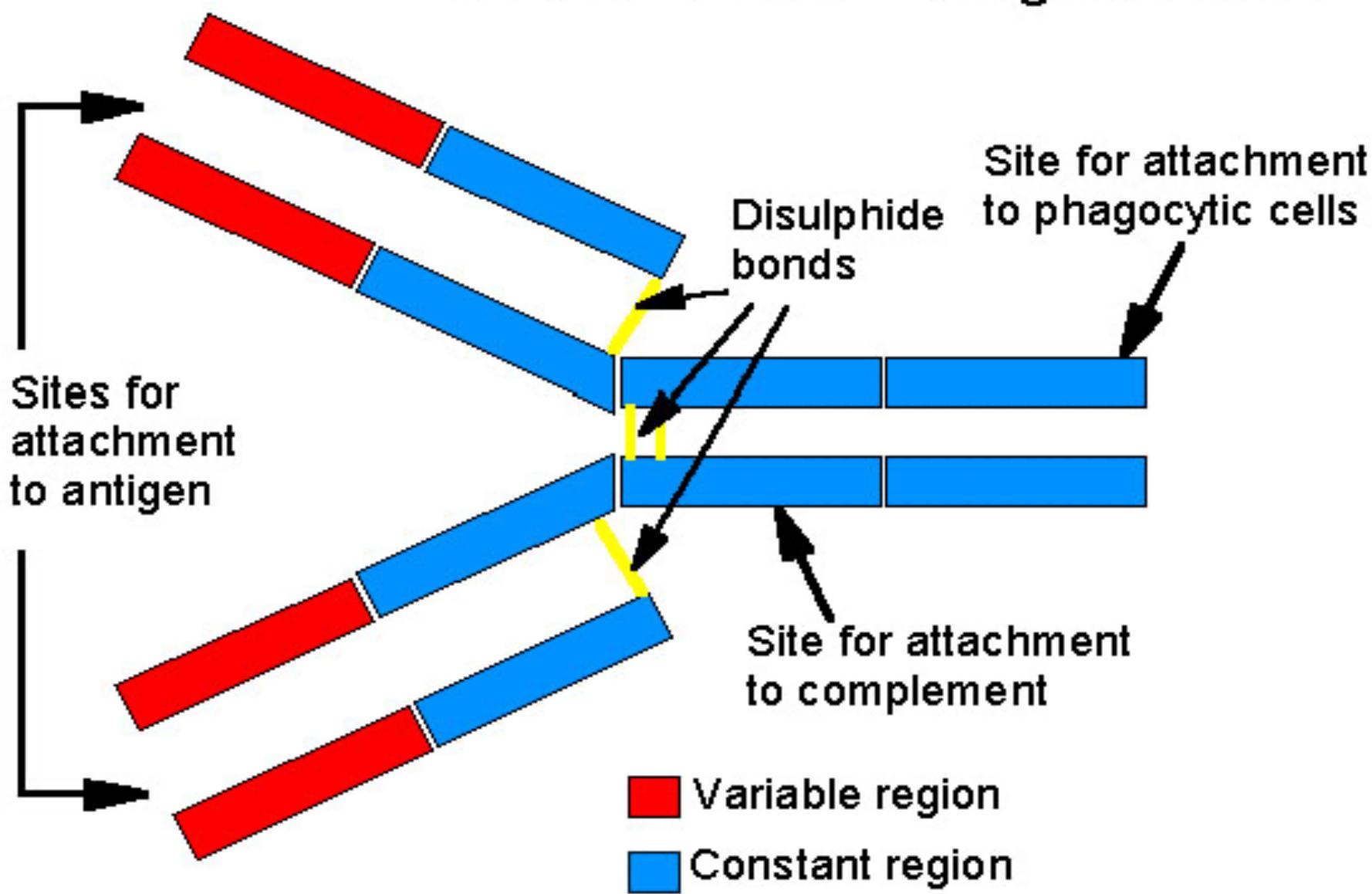
- Auf Grund von den konstanten Domänen von schwere (**H**) und leichte (**L**) Kette.
- **CH isotypen:** heißt Ig Klassen und Subklassen als **IgG, IgM, IgA, IgD** und **IgE**. Alle Klassen werden in normal Serum (außerdem die membrangebundene IgD) als Isotypvarianten gefunden.
- **CL** Kette hat nur zwei **Isotypformen:** kappa (**k**) und lambda (**λ**), die mit alle schwere Kette Isotypen assoziieren können.

Heavy chain	Light chain	Immuno-globulin Class	Immuno-globulin Subclass
$\gamma 1$	κ or λ	IgG	IgG1
$\gamma 2$	κ or λ		IgG2
$\gamma 3$	κ or λ		IgG3
$\gamma 4$	κ or λ		IgG4
$\alpha 1$	κ or λ	IgA	IgA1
$\alpha 2$	κ or λ		IgA2
μ	κ or λ	IgM	
δ	κ or λ	IgD	
ϵ	κ or λ	IgE	

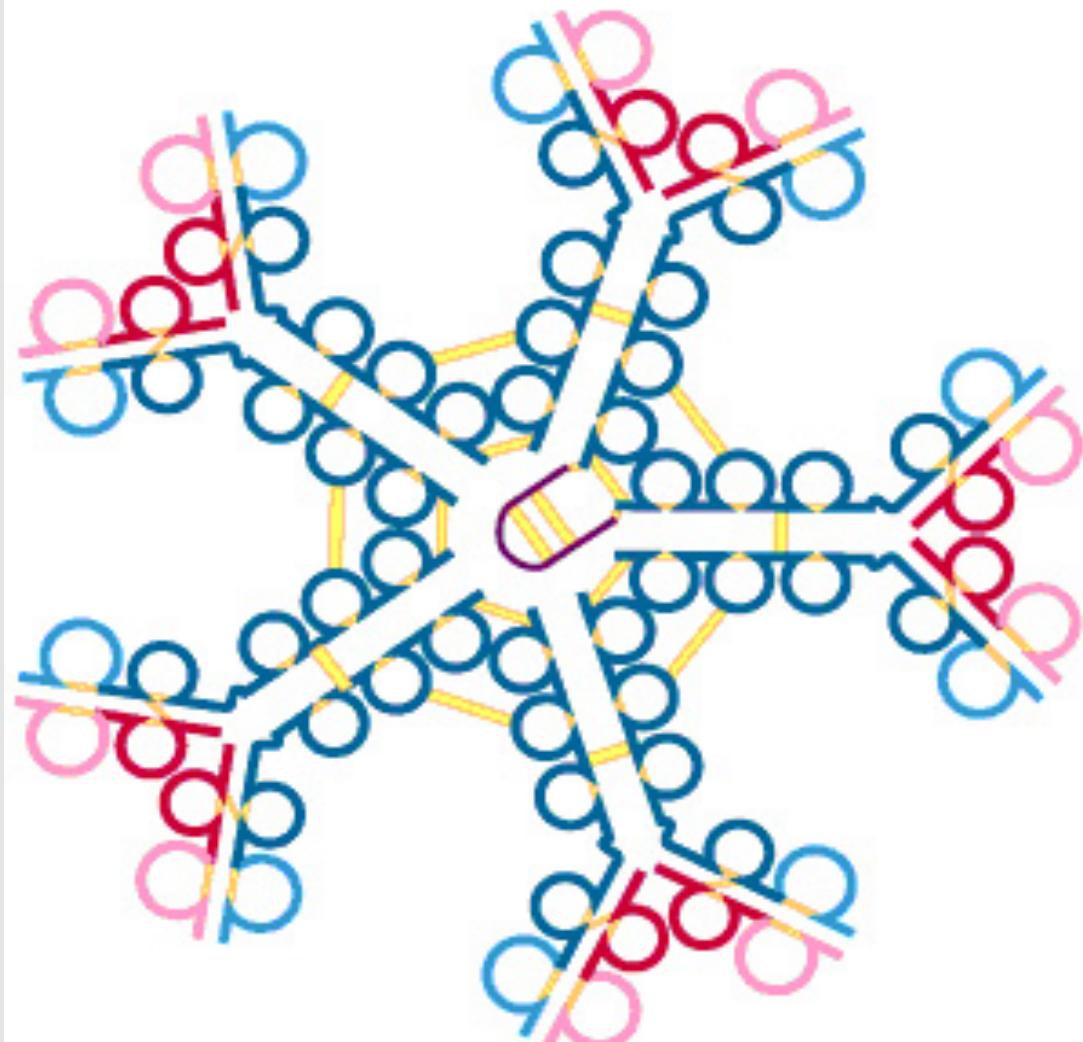
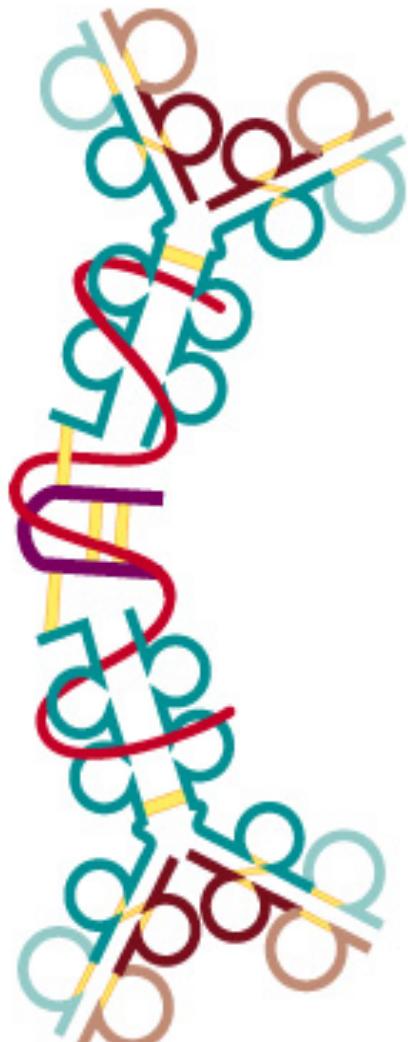
Pronunciation of Greek letters:

γ	gamma	α	alpha	μ	mu	δ	delta
ϵ	epsilon	κ	kappa	λ	lambda		

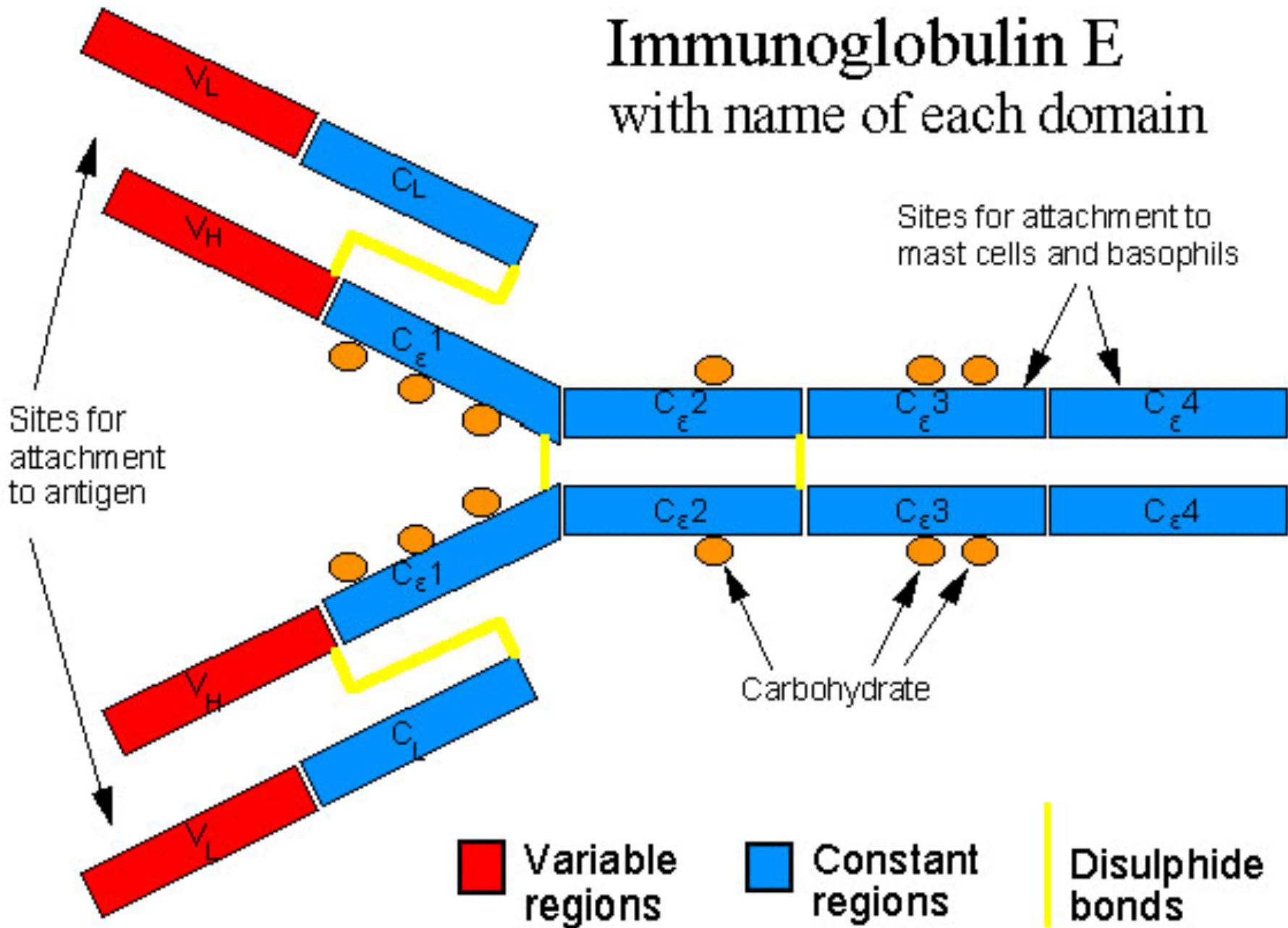
Structure of Immunoglobulin G1

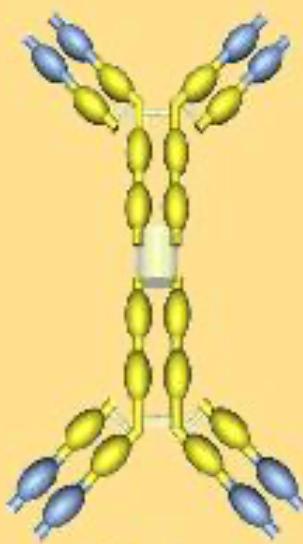


IgA und IgM

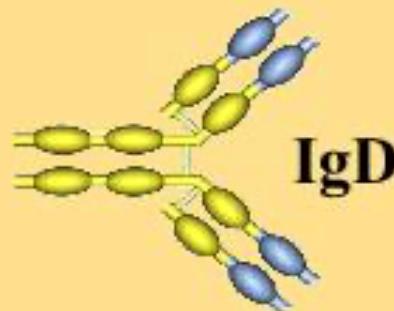


Immunoglobulin E with name of each domain

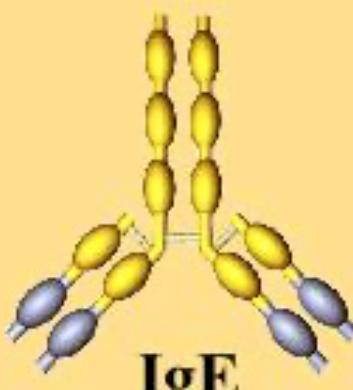




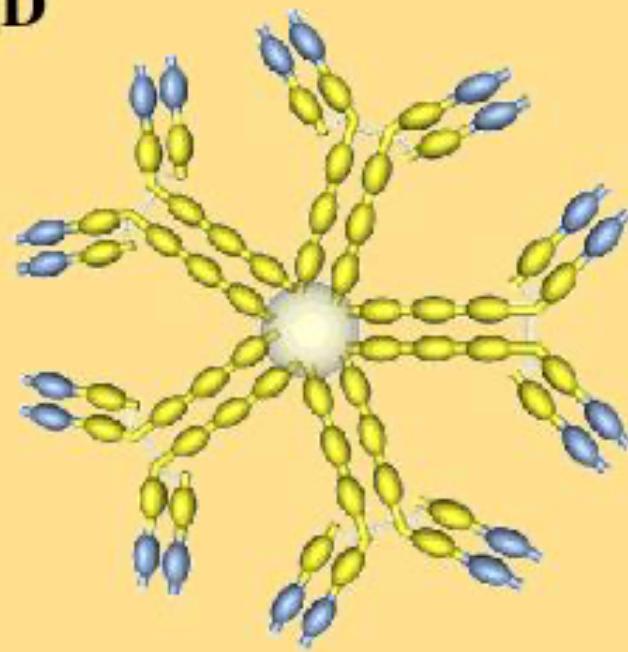
IgA



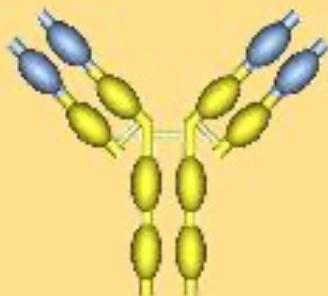
IgD



IgE

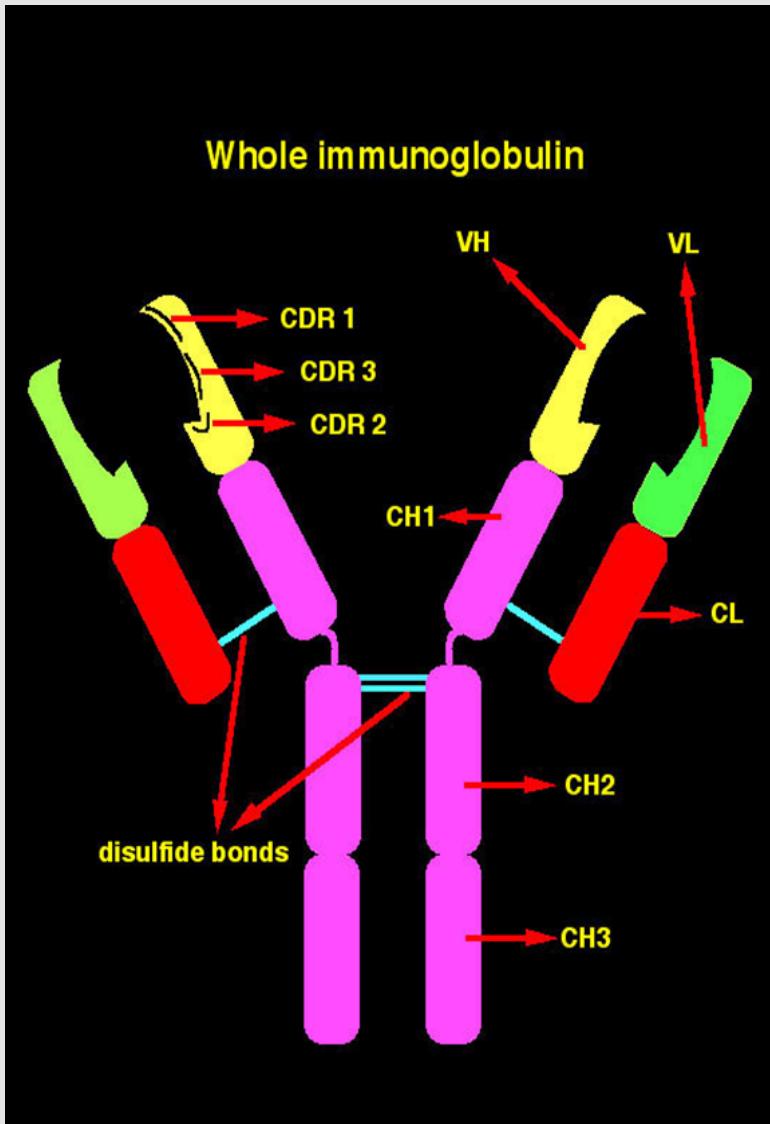


IgM



IgG

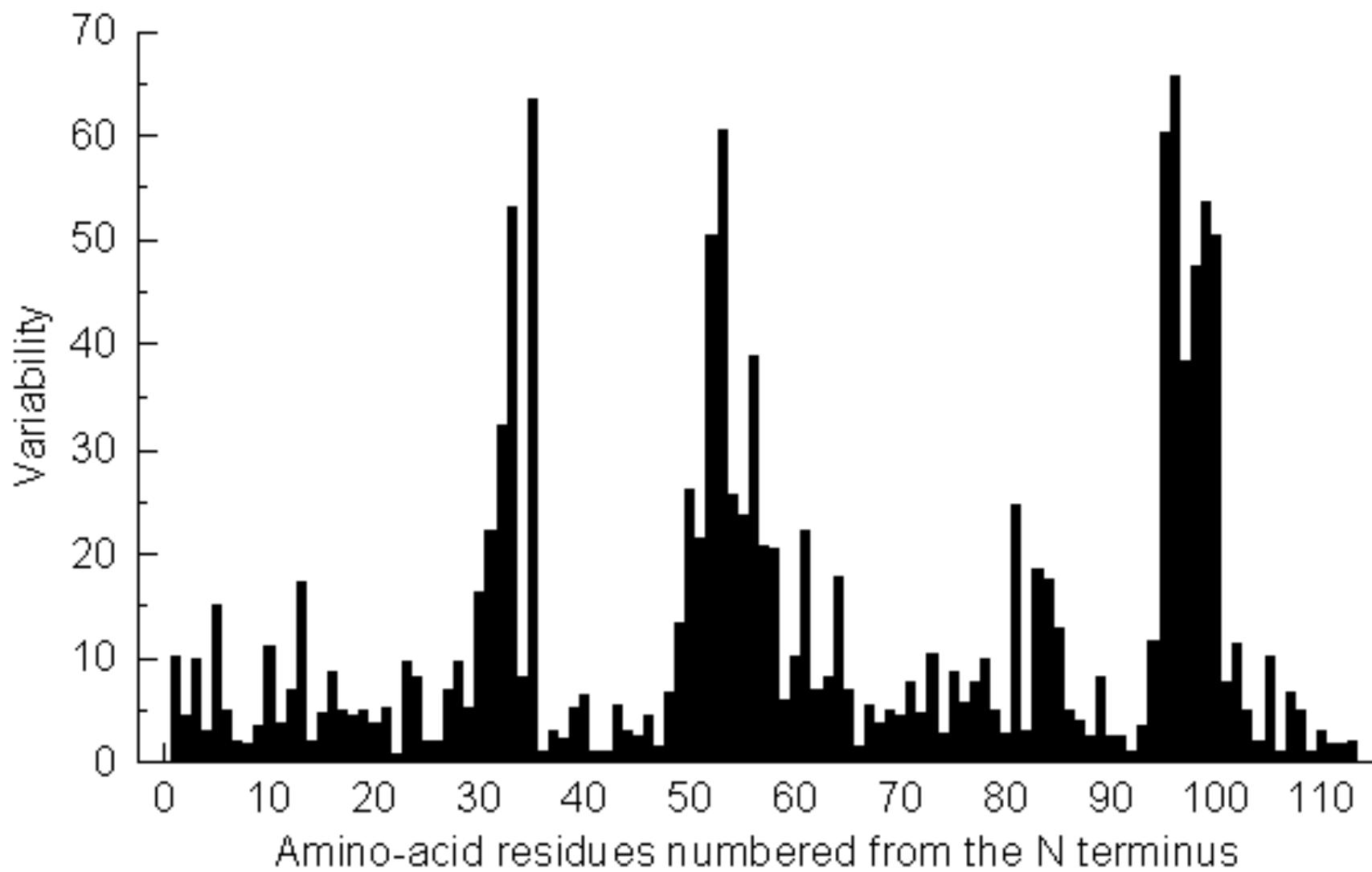
Immunoglobulin Idiotyp



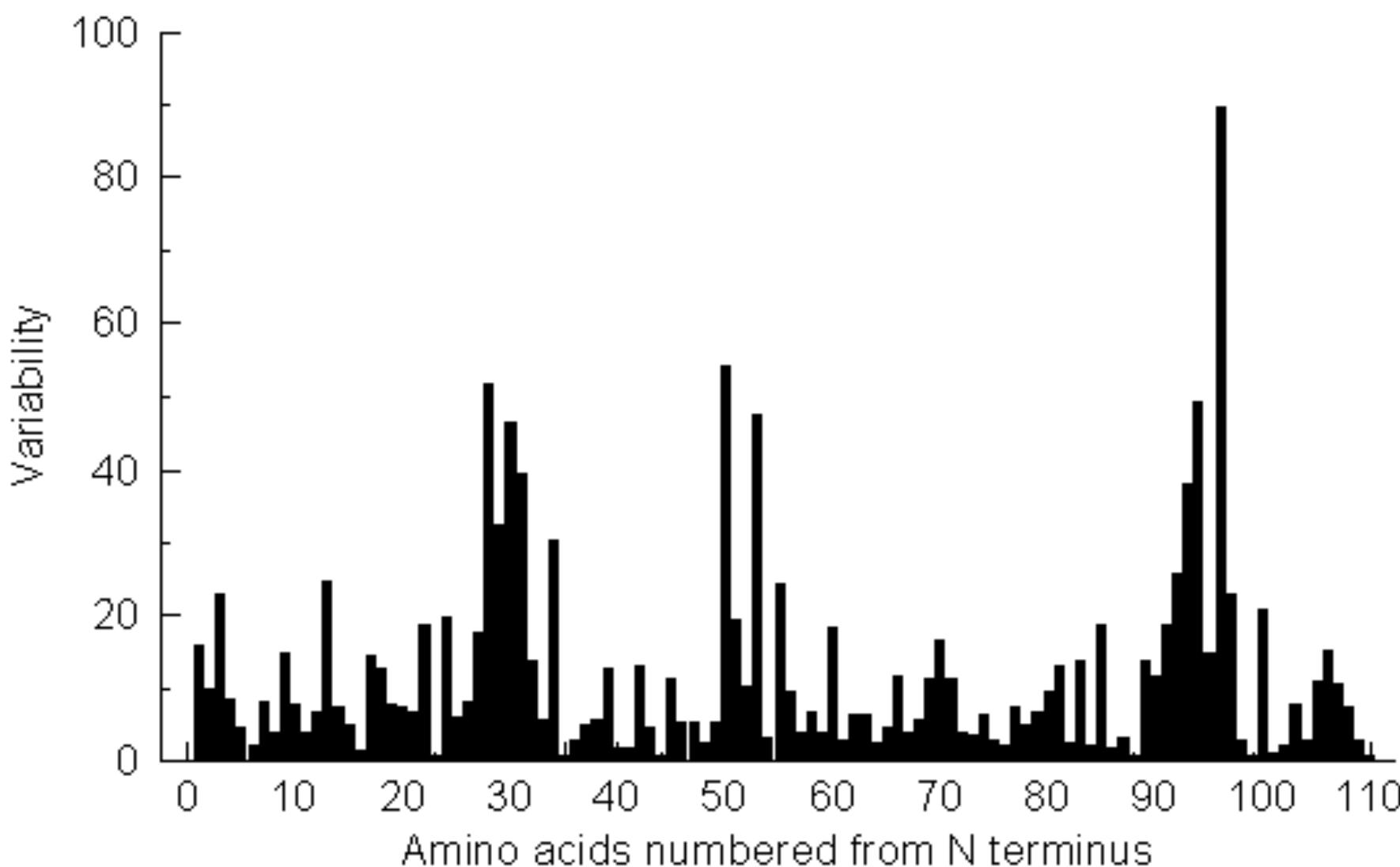
Individuelle Determinanten **V Regionen**, spezifisch für jede Antikörper.

Die N-terminal Ig Domain enthält ein V Region die bildet die **Antigenbindungsstelle**: clustering von 3 hypervariable sequenzen nah zu einander auf beide Ketten - Variation von 3 x 3 verursacht riesige Diversität.

Variability of amino-acid residues in the variable region of immunoglobulin H chains

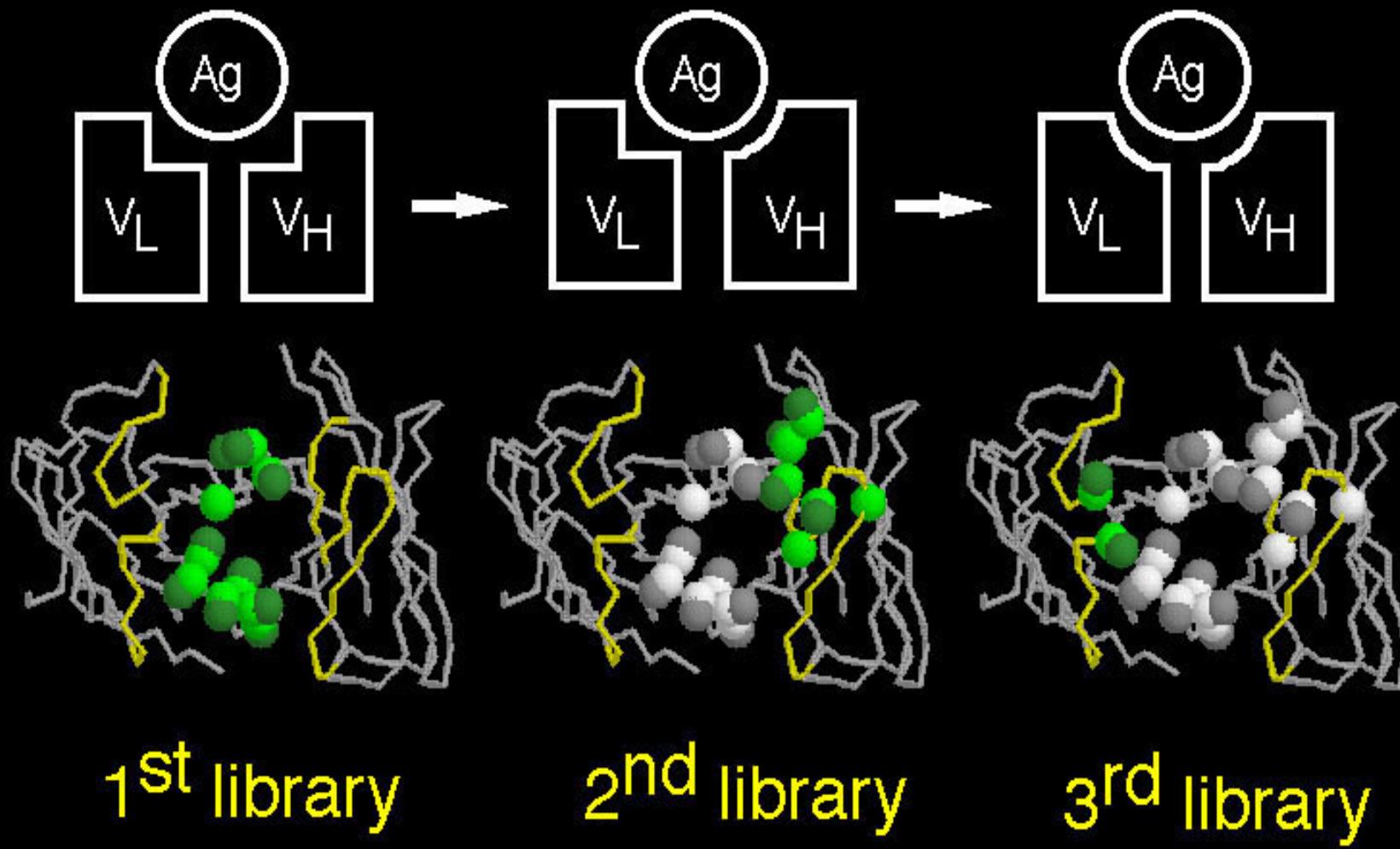


Variability of amino-acid residues in the variable region of Immunoglobulin L chains



Antibody affinity maturation

Pini et al. (1998) J. Biol. Chem. 273, 21769-21776



Medtraining Frage 3

Antigenerkennung von T Zellen

“MHC-Restriktion”

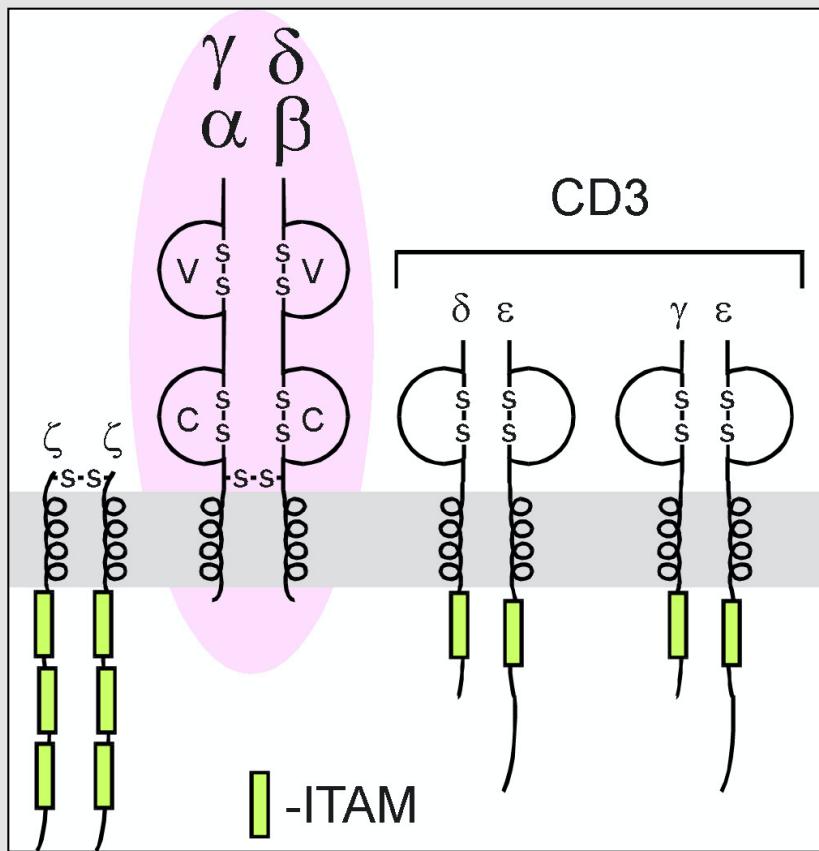
T Zelle erkennen Antigene nur als MHC-Peptidkomplexen die auf körpereigene Zelle erscheinen.

CD8+ (zytotoxische) T-Zelle MHC I-Peptidkomplex

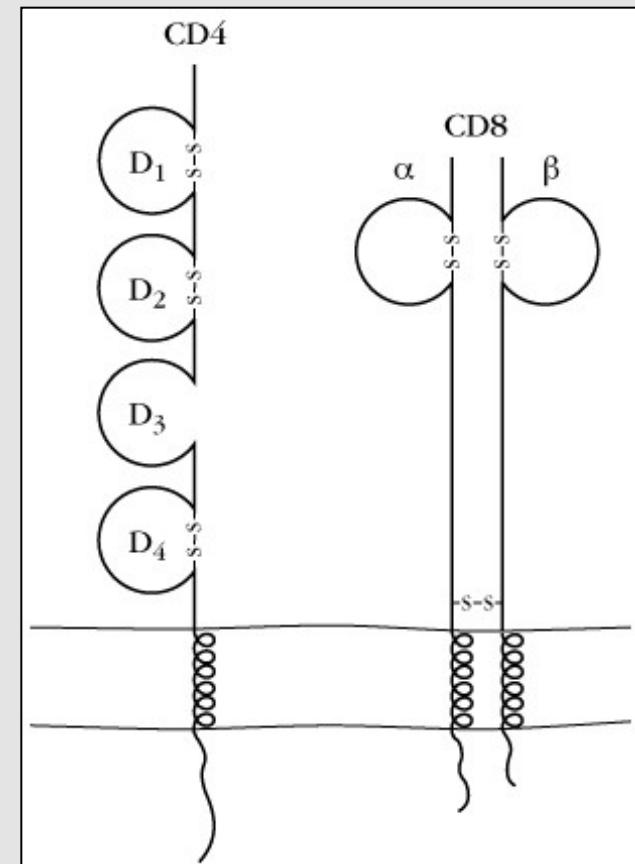
CD4+ (helfer) T-Zelle MHC II-Peptidkomplex

R. M. Zinkernagel & P. C. Doherty – Nobel Prize für Physiology or Medicine (1996.)

T Zell Rezeptor Komplex auf reife T Zellen



+

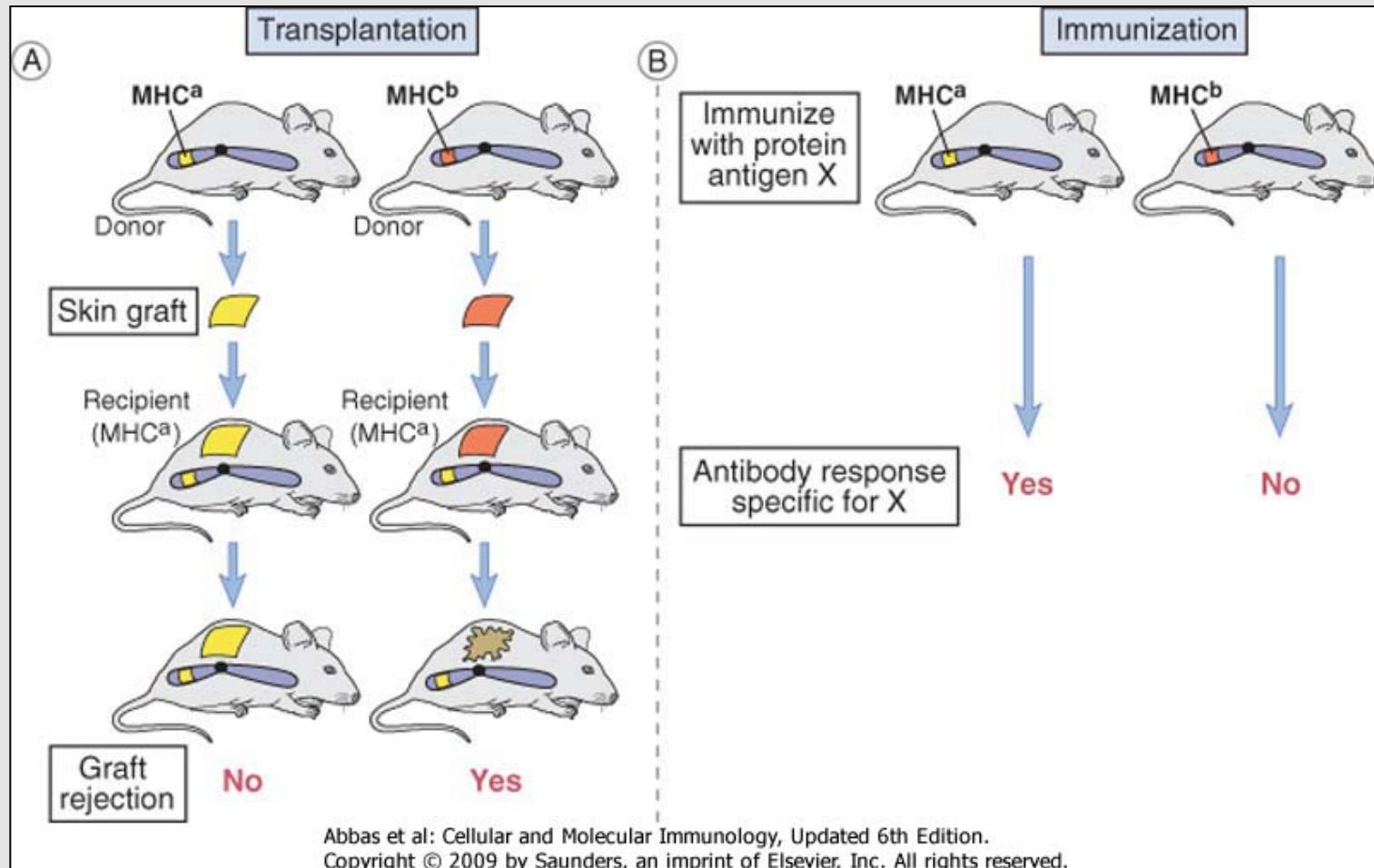


$\alpha\beta$ TcR – CD4+ oder CD8+)
 $\gamma\delta$ TcR – CD4-CD8-

Definition

- **MHC=Major Histocompatibility Complex; HLA=Human Leukocyte Antigen**
- Entdeckung: Transplantation Experimente zwischen insgezüchtete Mäusestammen die unterschiedliche MHC Genen exprimieren.
- **Insgezüchtete Mäusestammen:** decken von Geschwisterpaaren für mehr als 20 Generationen → alle Mäuse sind homozygotisch auf alle Genloci (genetisch identisch = “*syngenisch*”)
- In Fall von polymorphen Genen (zB. MHC) jede insgezüchtete Stämme exprimiert eine einzige Allel von der originelle Population
- Verschiedene insgezüchtete Stämme sind “*allogenisch*” zu einander = sie tragen verschiedene Allelen.

Entdeckung der MHC



Histocompatibility-2 (H-2) locus

K, D (MHC Klasse I) Genen
Verantwortlich für Graftabstoßung

Immune response (Ir) genes

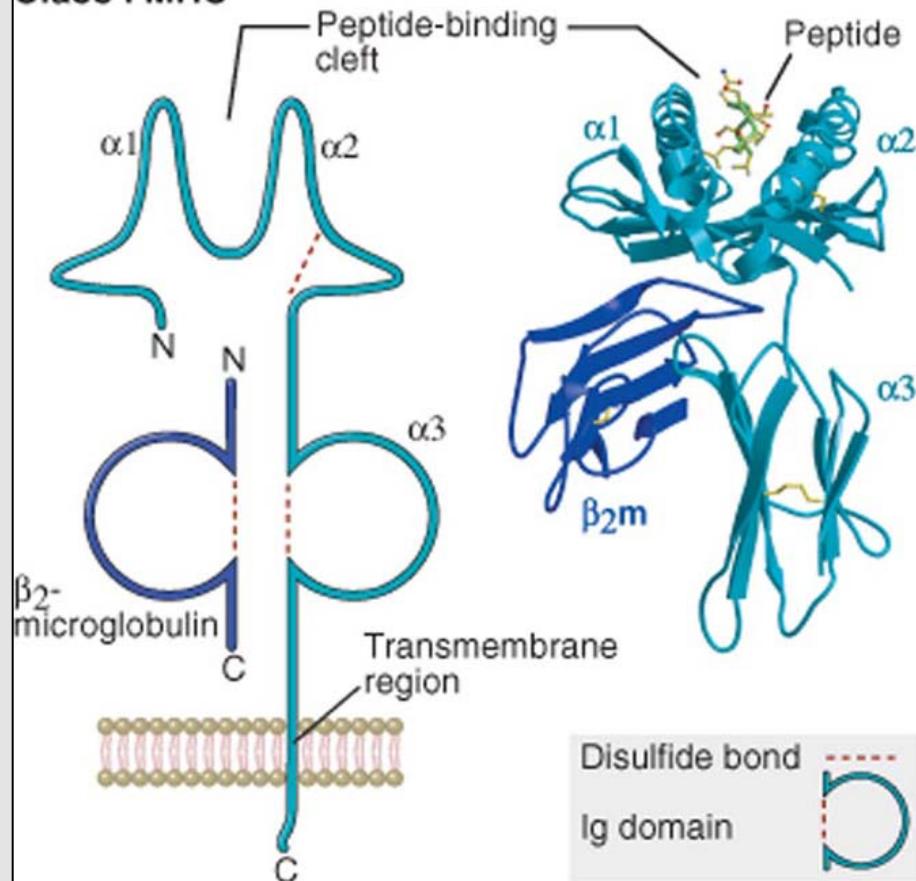
A, E (MHC Klasse II) genes determine
reactivity to different protein antigens

Karakteristika der MHC-I und MHC-II Moleküle

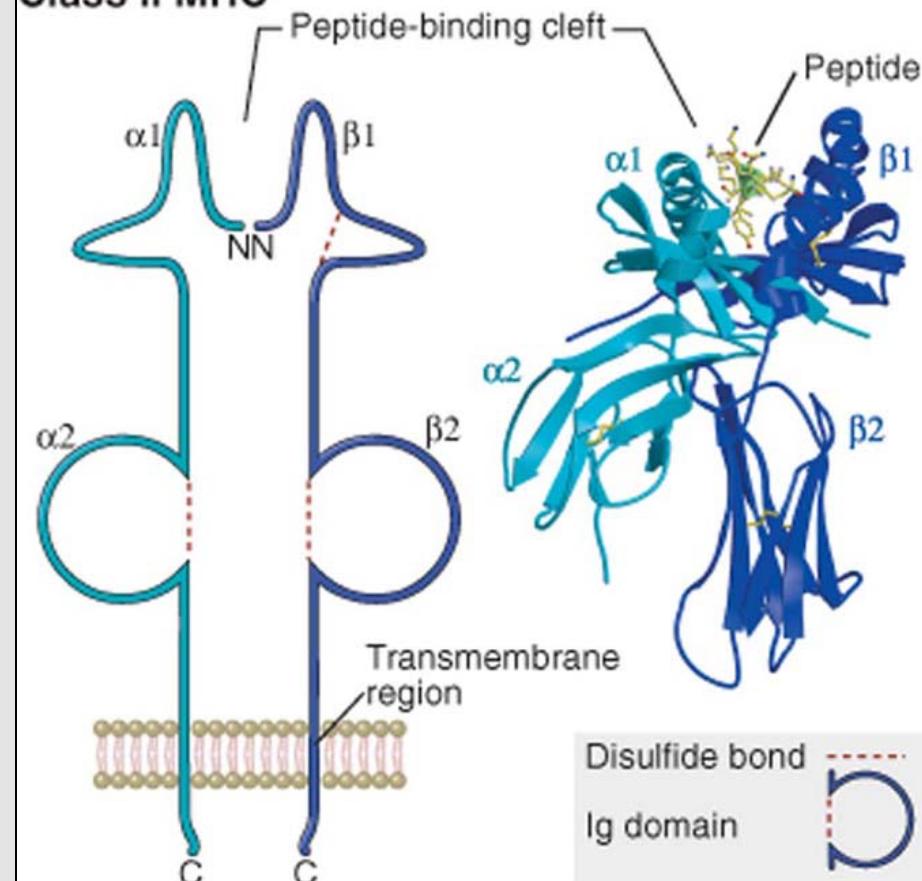
Karakteristika	Klasse I MHC	Klasse II MHC
Polypeptidkette	α (44-47 kD) β_2 -Mikroglobulin (12 kD)	α (32-34 kD) β (29-32 kD)
Polimorphe Aminosäure	$\alpha 1$ and $\alpha 2$ Domäne	$\alpha 1$ and $\beta 1$ Domäne
Bindungsort für T Zell Korezeptor	$\alpha 3$ Region bindet CD8	$\beta 2$ Region bindet CD4
Größe der peptide-bindende Tasche	8-11 AA Peptide	10-25 AA Peptide
Nomenklatur		
Menschliche	HLA-A, -B, -C	HLA-DR, -DQ, -DP
Mäusliche	H-2K, H-2D, H-2L	I-A, I-E

Die Struktur der MHC-I und MHC-II

Class I MHC



Class II MHC



Abbas et al: Cellular and Molecular Immunology, Updated 6th Edition.
Copyright © 2009 by Saunders, an imprint of Elsevier, Inc. All rights reserved.

Abbas et al: Cellular and Molecular Immunology, Updated 6th Edition.
Copyright © 2009 by Saunders, an imprint of Elsevier, Inc. All rights reserved.

Peptidbindung der MHC-I und MHC-II

MHC-I

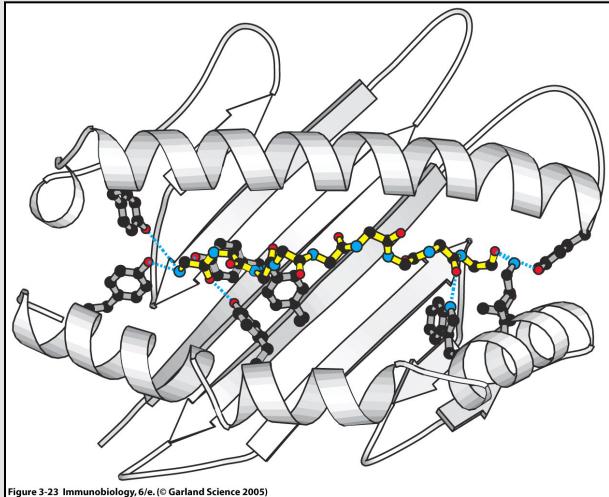


Figure 3-23 Immunobiology, 6/e. (© Garland Science 2005)

MHC-II

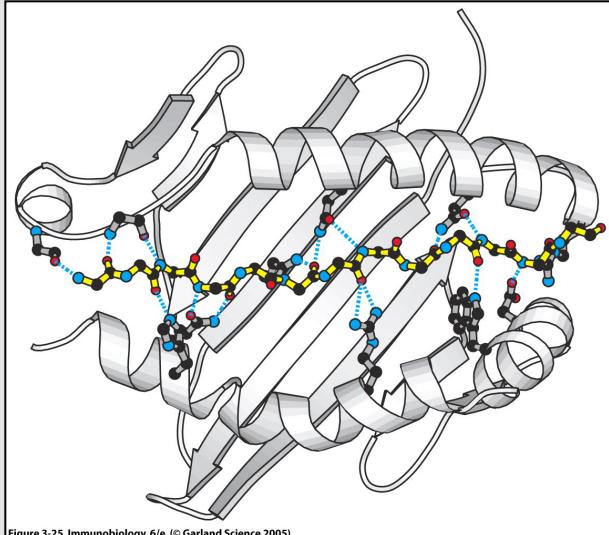
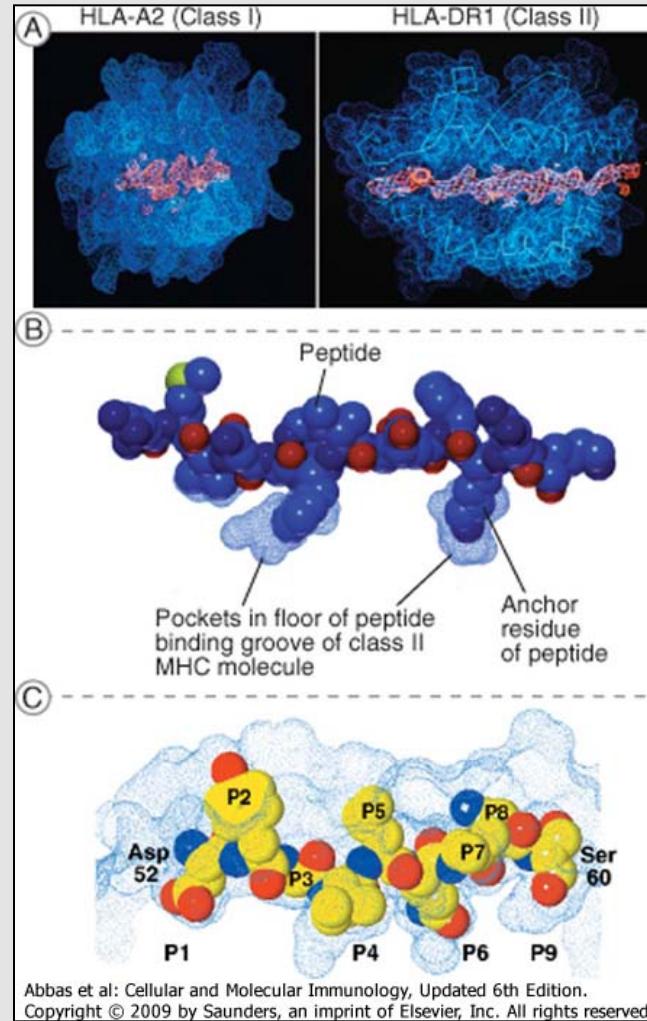


Figure 3-25 Immunobiology, 6/e. (© Garland Science 2005)



Nicht-kovalent Wechselwirkung zwischen “Anker”-Aminosäure den Peptiden und die kleine Tasche in dem β -sheet Boden des Peptidbindungsspalt.

Peptidbindung der MHC-I und MHC-II

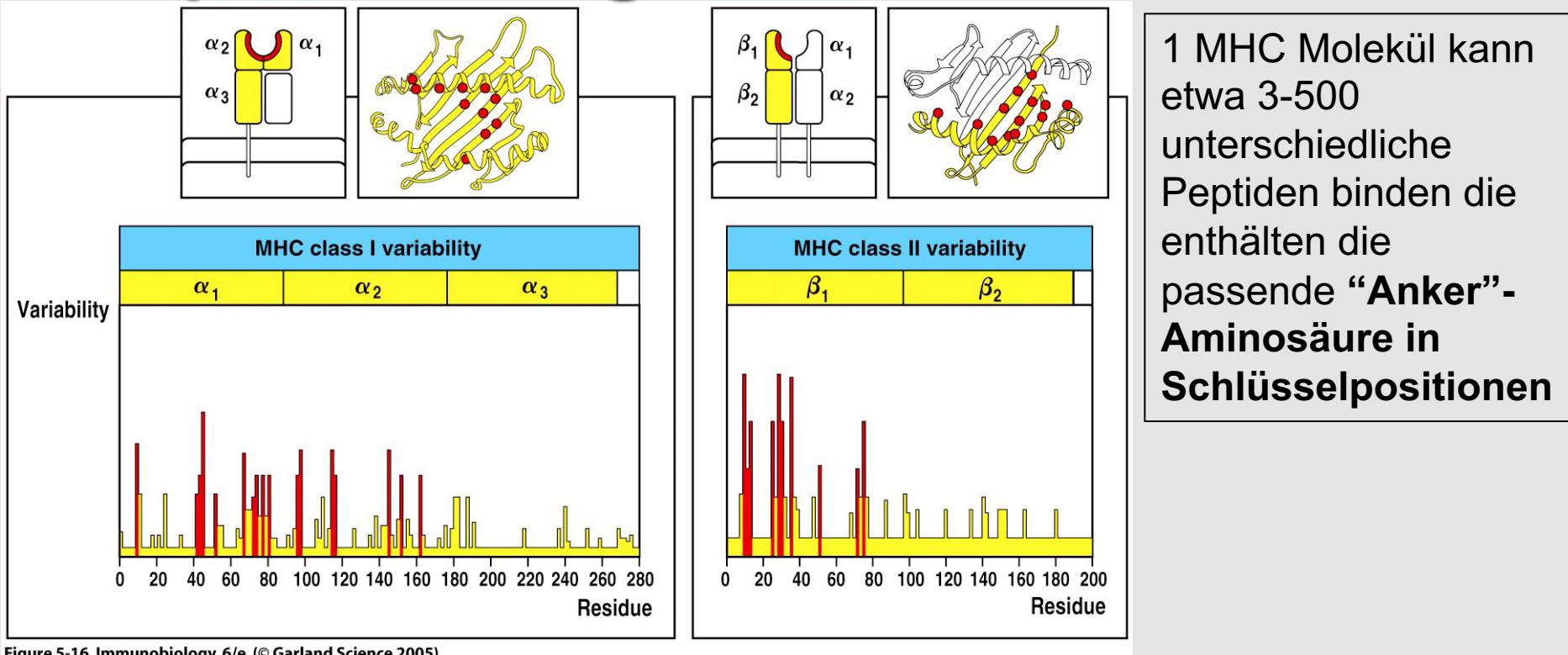
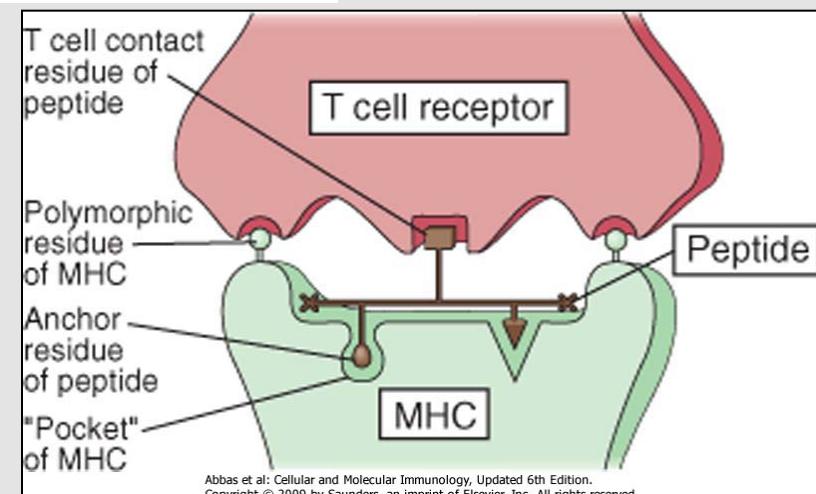


Figure 5-16 Immunobiology, 6/e. (© Garland Science 2005)

Polymorphe Aminosäure den MHC Molekülen lokalisieren um den peptidbindende Spalt sich und sind verantwortlich für **Peptidspezifität** und **TcR-Bindung**.



MHC-II Peptidbindung

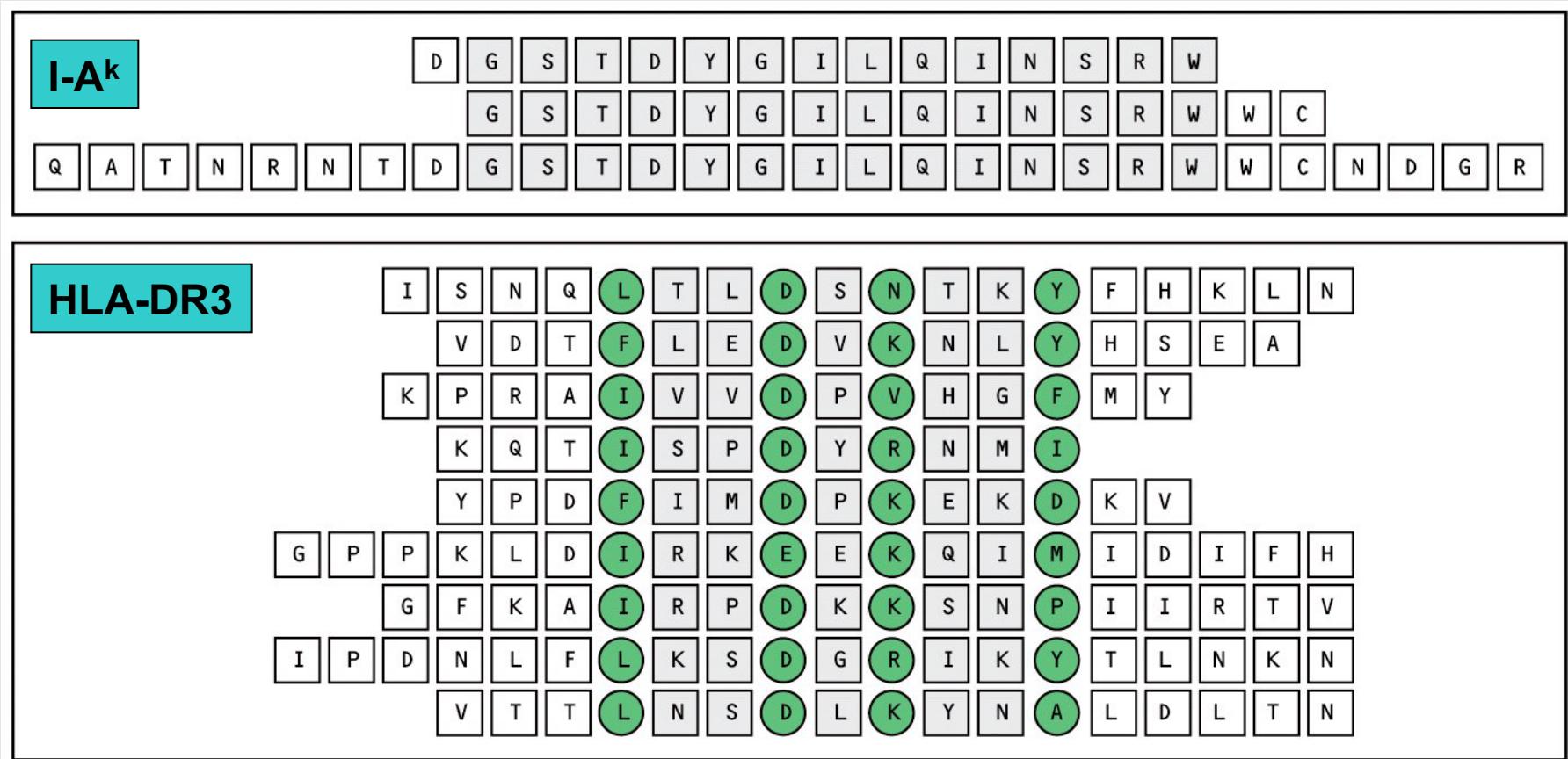
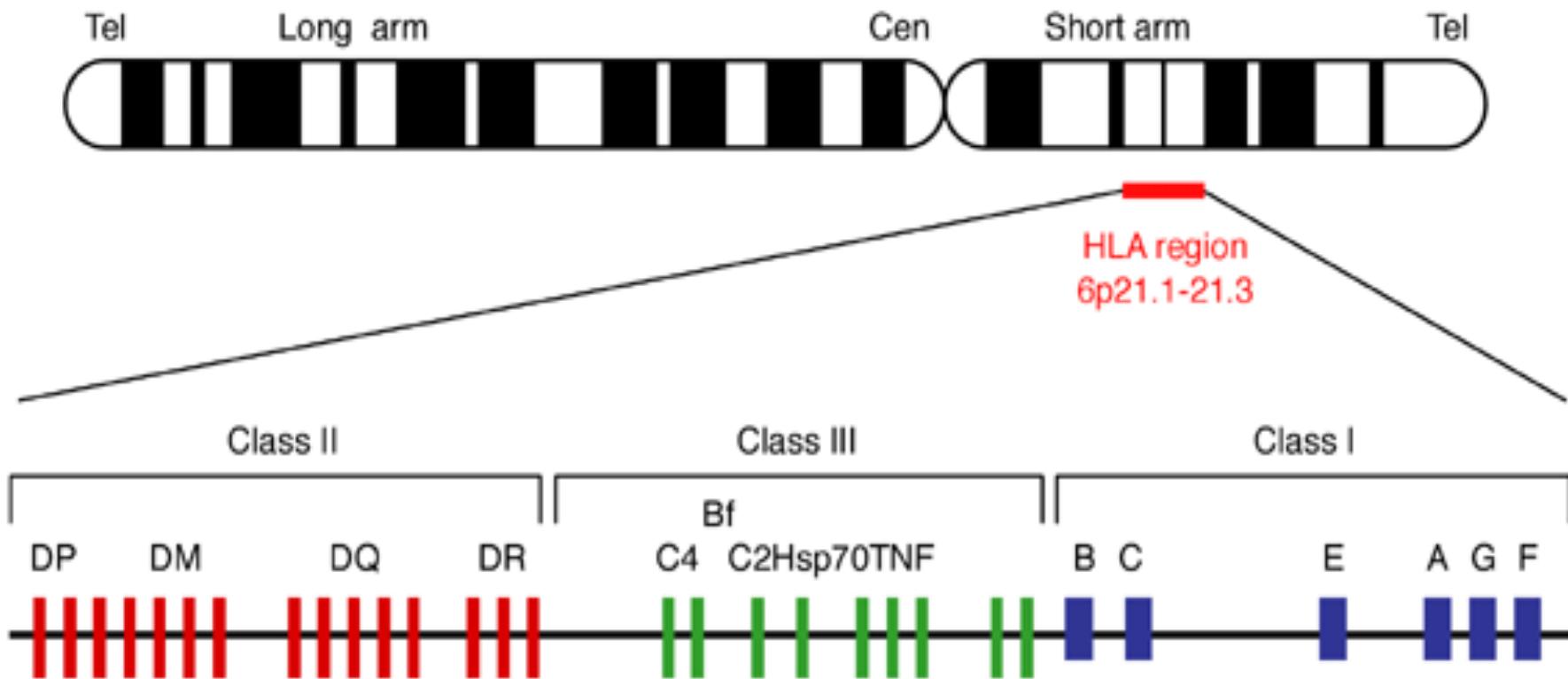


Figure 3-26 Immunobiology, 6/e. (© Garland Science 2005)

Medtraining Frage 4

HLA Mappe

Chromosome 6



Gene map of the human leukocyte antigen (HLA) region

Expert Reviews in Molecular Medicine © 2003 Cambridge University Press

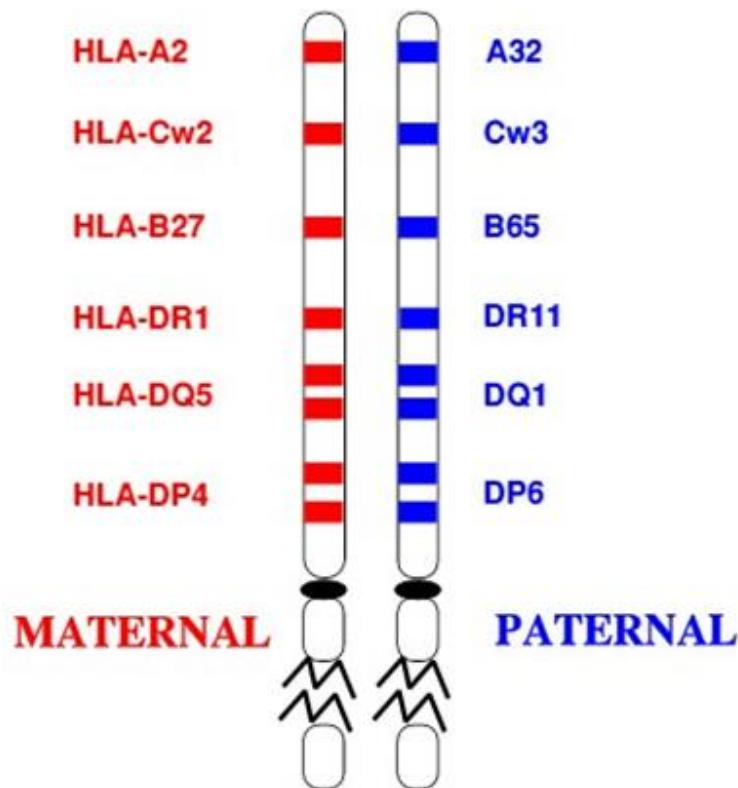
Genetik der MHC (HLA)

1. **Polygen:** Mehrere Gene kodieren MHC I und MHC II Moleküle. (z.B. HLA-A, B und C Typ I MHCs und DP, DQ und DR Typ II MHCs)
2. **Polymorph:** Es gibt viele verschiedene Allele für jedes Gen in der Bevölkerung, deswegen ist es sehr variabel.
3. **Kodominant:** Beide (mütterliche und väterliche) Allele werden gleichzeitig exprimiert.

Nomenclature: eg. HLA-B*2705= erste 2 Zahl – Hauptallele, letzte 2 Zahl - Suballele. (w=workshop - provisionell)

Genetik der MHC (HLA)

Most Humans are heterozygous
at the MHC



Expression der MHC I und MHC II

MHC I

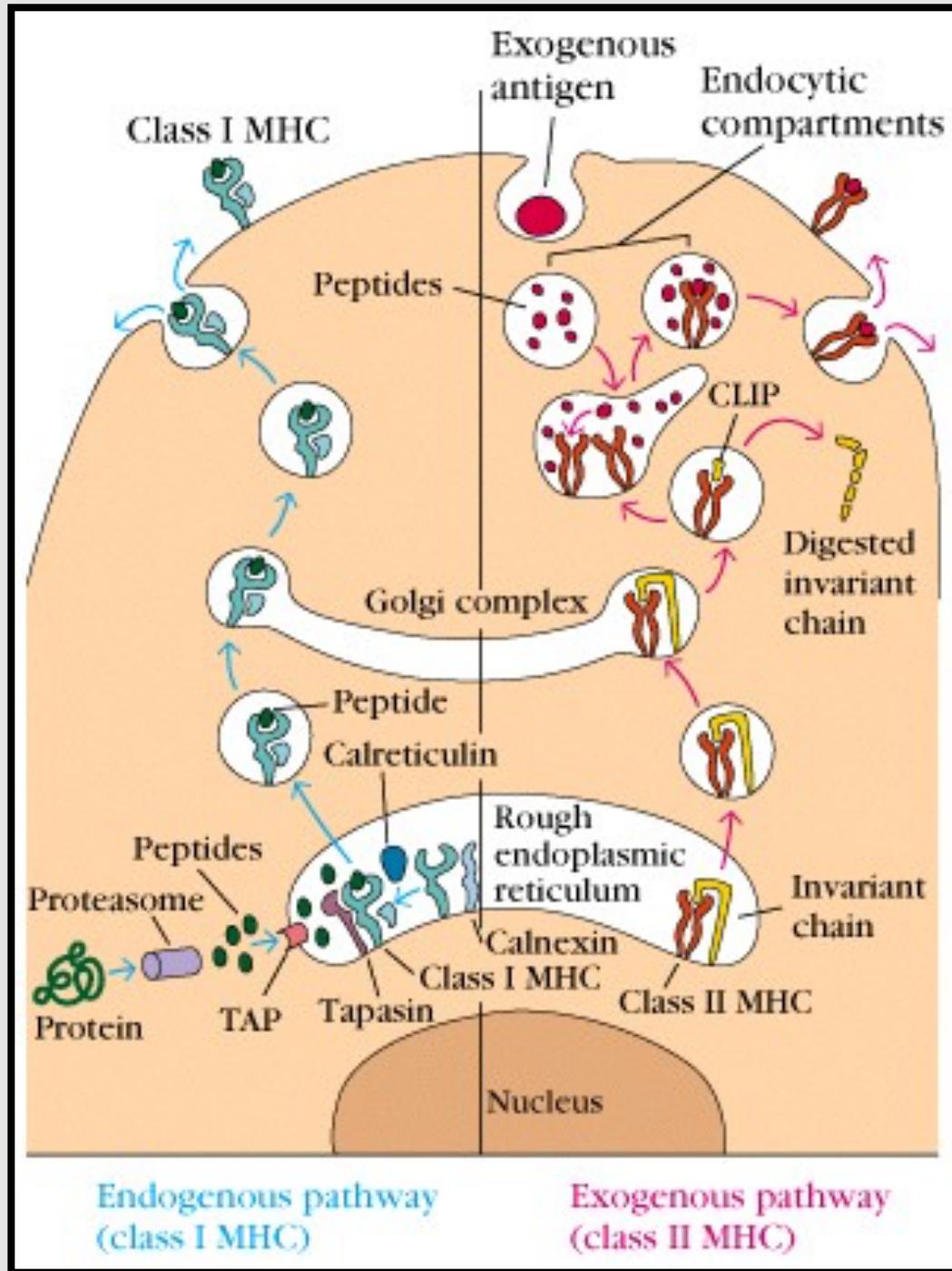
Alle kernhaltige Zellen + Thrombozyten

**MHC II
Zellen**

Professionelle Antigenpräsentierende

- **Dendritische Zellen**
- **B Zellen**
- **Makrophagen**
- **(Thymisch Epithelzellen)**

**Fakultative Antigenpräsentierende
Zellen zB. Entzündliche Epithel**



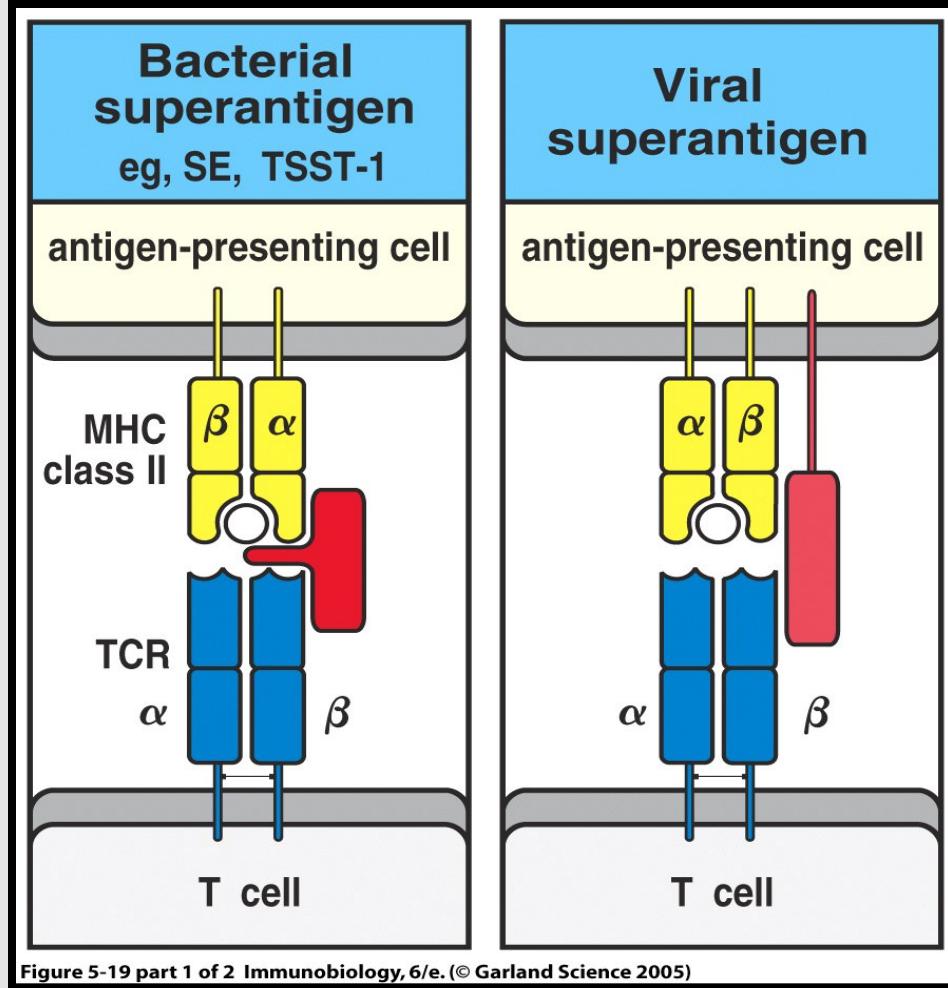
Antigenpräsentation auf MHC I

- 1. Zytosolisch, hauptsächlich normal oder viral/modifizierte Proteine**
- 2. Proteasomal degradation**
- 3. Peptidtransport nach ER (TAP1&2)**
- 4. MHC I Kette produziert in ER auf Ribosomen**
- 5. Chaperonen: calnexin, calreticulin, Erp57**
- 6. Tapasin und TAP1&2**
- 7. MHCI & peptide Bindung in ER**

Antigenpräsentation auf MHC II

- 1. Phagozytierte Proteine: Bakterien, Bakterielle Produkte, internalisierte rezeptorggebundene Peptide, Teile von anderen Zellen**
- 2. Endosomale Degradation**
- 3. MHCII Kette werden in ER produziert auf Ribosomen**
- 4. Invariant Kette**
- 5. HLA-DM: MHC II-spezifische Chaperon**
- 6. CLIP=class II associated invariant chain peptide**
- 7. MHC II & peptide Bindung in Endosomen außerdem ER**

Superantigene



In vergleich mit normale Antigen-induzierte T-Zell antwort wo 0.001-0.0001% den T Zellen des Körpers werden aktiviert, SAgS (zB, endotoxins) kann etwa 20% von T Zellen gleichzeitig aktivieren was verursacht eine massive Immunantwort (Toxic Shock Syndrome) die für keine Epitope auf Sag spezifisch ist.

T Zellen produzieren Zytokine - systemisch Toxizität („Zytokin tsunami“)

Medizinische Bedeutung der MHC

- **Gewebe/Organtransplantation – Spender und Empfänger müssen eine passende HLA Haplotyp haben**
- **HLA-Assoziation von Krankheiten (“Krankheit Anfälligkeit”) – besondere Krankheiten erscheinen mehr oft in Individuen mit einer spezifischen HLA Typ sich.**

HLA-assoziation einige Krankheiten

Some HLA associated autoimmune diseases

Disease	HLA	Pts ^a	Ctrls ^a	RR ^b
Ankylosing spondylitis	B27	> 95	9	> 150
Subacute thyroiditis	B35	70	14	14
Psoriasis vulgaris	Cw6	87	33	7
Graves disease	DR3	65	27	4
Myasthenia gravis	DR3	50	27	2
Addisons disease	DR3	69	27	5
Rheumatoid arthritis	DR4(some)	81	33	9
Juvenile idiopathic arthritis	DR8	38	7	8
Celiac disease	DQ2 (+DQ8)	92	28	30
Narcolepsy	DQ6(02)	> 95	33	> 40
Multiple sclerosis	DQ6(02)	86	33	12
Type 1 diabetes	DQ8(+)	81	23	14
Type 1 diabetes	DQ6(02)	< 0.01	33	0.02

^a The figures show antigen frequencies in a Norwegian population.

^b RR: relative risk; i.e. how many times more frequent the disease is in those having the corresponding HLA molecule compared to those lacking it.

In: E. Thorsby, B.A. Lie: HLA associated genetic predisposition to autoimmune diseases: Genes involved and possible mechanisms. *Transplant Immunology* 14 (2005) 175 – 182.

In: N. Singh, S. Agrawal, A.K. Rastogi Infectious Diseases and Immunity: Special Reference to Major Histocompatibility Complex. *Emerging Infectious Diseases* 3 (1997) 41-49.

Table 2. Association between human leukocyte antigen (HLA) and some infectious diseases

Disease	HLA Association
<i>Bacterial</i>	
Ankylosing spondylitis	B27
Reiter disease	B27
Acute anterior uveitis	B7
<i>Mycobacterial</i>	
Tuberculosis and leprosy (multibacillary forms)	DR2 (DRB1*1501, 1502)
lepromatous leprosy	DR2 and DQ1
paucibacillary tuberculoid	DR3
<i>Viral</i>	
Dengue fever virus	DR15
Human immunodeficiency virus 1	DR13 (DRB1*1301, 1302, 1303) DR2 (DRB1*1501) DRB1*03011
Hepatitis B virus	DR13
Hepatitis C virus	A2 DR5
Epstein-Barr virus	B35.01 A11 B7
<i>Parasitic</i>	
Malaria	B53
Scabies	A11
Diffuse cutaneous leishmaniasis	A11, B5, B7
Localized cutaneous leishmaniasis	A28, Bw22, DQw8 Bw22, DR11, Qw7 Bw22, Dqw3
Schistosomiasis	B5, DR3
Visceral leishmaniasis	A26

Medtraining Frage 5

Danke für Ihre Aufmerksamkeit!

